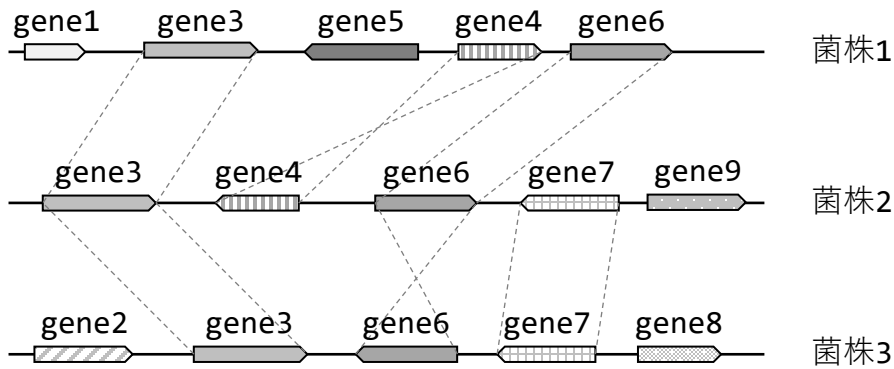


(a)



(b)

	菌株1	菌株2	菌株3	和	コアゲノム	非必須ゲノム	
						アクセサリ遺伝子	ユニーク遺伝子
gene1	○			1			yes
gene2			○	1			yes
gene3	○	○	○	3	yes		
gene4	○	○		2		yes	
gene5	○			1			yes
gene6	○	○	○	3	yes		
gene7		○	○	2		yes	
gene8			○	1			yes
gene9		○		1			yes

図2.1 バクテリアにおけるパンゲノム解析の概念図

(a) 3種類の菌株の仮想ゲノム配列。構造アノテーションによって遺伝子領域の座標とその向きが定められた状態の模式図である。後述するBLASTなどの配列類似性検索ツールを用いることで、菌株間で同一の遺伝子に対応付けられる。ここではその結果を点線で示している。(b)対応付け後の状態を行列で表現したもの。詳細は本文を参照のこと。