



次世代シーケンサーデータの解析手法

第10回DDBJへの塩基配列の登録(実践編):ウェブ資料

谷澤 靖洋*、藤澤 貴智、真島 淳、李 慶範、遠野 雅徳*、坂本 光央、大熊 盛也、中村 保一、清水 謙多郎、門田 幸二*

W1-1: DFAST結果画面

DFASTの入力として与えた配列の、①総塩基数は2,594,548 bp、②配列数は327個。入力配列情報は、③genome.fnaの中身と同じ

Remember the [current URL](http://dfast.nig.ac.jp/analysis/annotation/005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f) to access this page. The result will be deleted 30 days after your last visit.

[Delete this job now.](#) => This procedure cannot be undone.

Title :
JobID : 005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f
Status : COMPLETE

[2017-03-24 09:41:25.327270] Job submitted.
[2017-03-24 09:41:25.342269] Job started.
[2017-03-24 09:45:48.287690] Job completed.

Result **Features** DDBJ Submission Log

Genome Statistics

Total Length (bp)	2,594,548
No. of Sequences	327
GC Content (%)	39.3%
N50	17,928
Gap Ratio (%)	0.494306%
No. of CDSs	2,395
No. of rRNA	6
No. of tRNA	62
No. of CRISPRS	3
Coding Ratio (%)	77.1%

Download Files

- Genbank Flat File : [annotation.gbk](#)
- GFF3-formatted File : [annotation.gff](#)
- Genome Fasta File : [genome.fna](#)
- Protein Fasta File : [protein.faa](#)
- CDS Fasta File : [cds.fna](#)
- RNA Fasta File : [rna.fna](#)
- Feature Table : [features.tsv](#)
- Genome Statistics : [statistics.txt](#)
- Zip Archive : [annotation.zip](#)

Genome Assessment

ANI Result : [Download](#) CheckM Result : [Download](#)

ANI TopHit Lactobacillus acidipiscis DSM 15836



W2-1: アカウント申請

第9回W9-3で詳細に述べなかった部分を第10回で解説します。①まずはDDBJ登録アカウントの取得。②D-wayにアクセス

The screenshot shows a web browser window with the URL <http://dfast.nig.ac.jp/analysis/annotation/005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f/sul>. The page title is "DFAST: DDBJ Fast Ann...". The navigation bar includes "DFAST", "Analysis", "Archive", "Download", and "Help".

A message states: "Remember the current URL to access this page. The result will be deleted 30 days after your last visit." Below this, there is a "Delete this job now. => Delete" button and a note: "This procedure cannot be undone." The job details are as follows:

Title :	
JobID :	005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f
Status :	COMPLETE

A log box shows the following entries:

```
[2017-03-24 09:41:25.327270] Job submitted.  
[2017-03-24 09:41:25.342269] Job started.  
[2017-03-24 09:45:48.287690] Job completed.
```

The page has tabs for "Result", "Features", "DDBJ Submission", and "Log". The "DDBJ Submission" tab is active, showing the following content:

1. Preparation for Submit.

You can create DDBJ Submission Files (sequence file and annotation file) required to submit the genome through DDBJ Mass Submission System (MSS). If you want to submit a complete genome, you must provide a sequence name for each entry at [this page](#).

Before submission, you need to register BioProject and BioSample. Please follow the instruction below. For detailed information, please refer to [DDBJ Handbooks](#). If necessary, raw sequence data should be deposited in SRA.

- 1. Create a DDBJ submission account**
Open the submission portal page [D-way](#), and create a new one.
- 2. Registration to the BioProject Database**
Log-in at D-way, and create a new BioProject.
- 3. Registration to BioSample Database**
Log-in at D-way, and create a new BioSample.

このページでは DDBJ Mass Submission System (MSS) を用いて塩基配列を登録するために必要な2種類のファイル(配列ファイルとアノテーションファイル)を作成できます。コンブリートゲノムを DDBJ に登録する場合には [こちらのページ](#) で配列名・配列種別(染色体/プラスミド)・直鎖/環状の指定を行ってください。

登録に先立ち、BioProject Database と BioSample Database への登録を次の手順に従って行います。詳細な手順は [DDBJ Handbooks](#) を参照してください。必要に応じてシーケンスデータの SRA への登録も行い

- 1. DDBJ登録アカウントの取得**
登録ポータル [D-way](#) でアカウント申請を行います。
- 2. BioProject Database への登録**
D-way にログインし、新規 BioProject を登録します。
- 3. BioSample Database への登録**
D-way にログインし、新規 BioSample を登録します。

W2-2: D-way

このページからDDBJにログインして登録を行うわけだが、まずはアカウントを取得する必要がある。①Register for a new account

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/

D-way

DDBJ Submission Portal D-way

Login to submit data to DDBJ BioProject, BioSample and Sequence Read Archive (DRA)

Login

Login ID:

Password:

Login

- Never submit data without the permission of the principal investigator.
研究責任者の許可なくデータを登録しないでください。
- When you are submitting data derived from human subjects, please read "Data submission of human subjects research".
ヒトに由来するデータを登録する場合は「ヒトを対象とした研究データの登録について」を熟読してください。

Forgot username or password ([English](#), [Japanese](#))?
[Register for a new account](#)

Website policy | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: Mar. 3, 2017 (v3.6)

W2-3: 新規アカウント

2010年頃にpiRNAデータの登録をやったような記憶が無きにしても非ずだが、もはやログインIDすらわからない状態なのでそれはなかったことにしてw、新規アカウント作成を行う。①ログインIDは、既に存在するIDと被らず、②赤枠で示す条件を満たせばおそらくなんでもいいはず

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/reserve_account_page

D-way

Create New Account

Login ID : *

First Name : *

Middle Name :

Last Name : *

Email : *

* required

[back to login page](#)

1 Login ID:

- id must be 4 to 24 characters long.
- id can contain small letters, numbers and "_".
- "-" and capital letters cannot be used.
- numbers and "_" cannot be used for first letter.

2

W2-3: 新規アカウント

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/reserve_account_page

D-way

Create New Account

Login ID : *

First Name : *

Middle Name :

Last Name : *

Email : *

* required

Login ID:

- id must be 4 to 24 characters long.
- id can contain small letters, numbers and "_".
- "-" and capital letters cannot be used.
- numbers and "_" cannot be used for first letter.

① login page

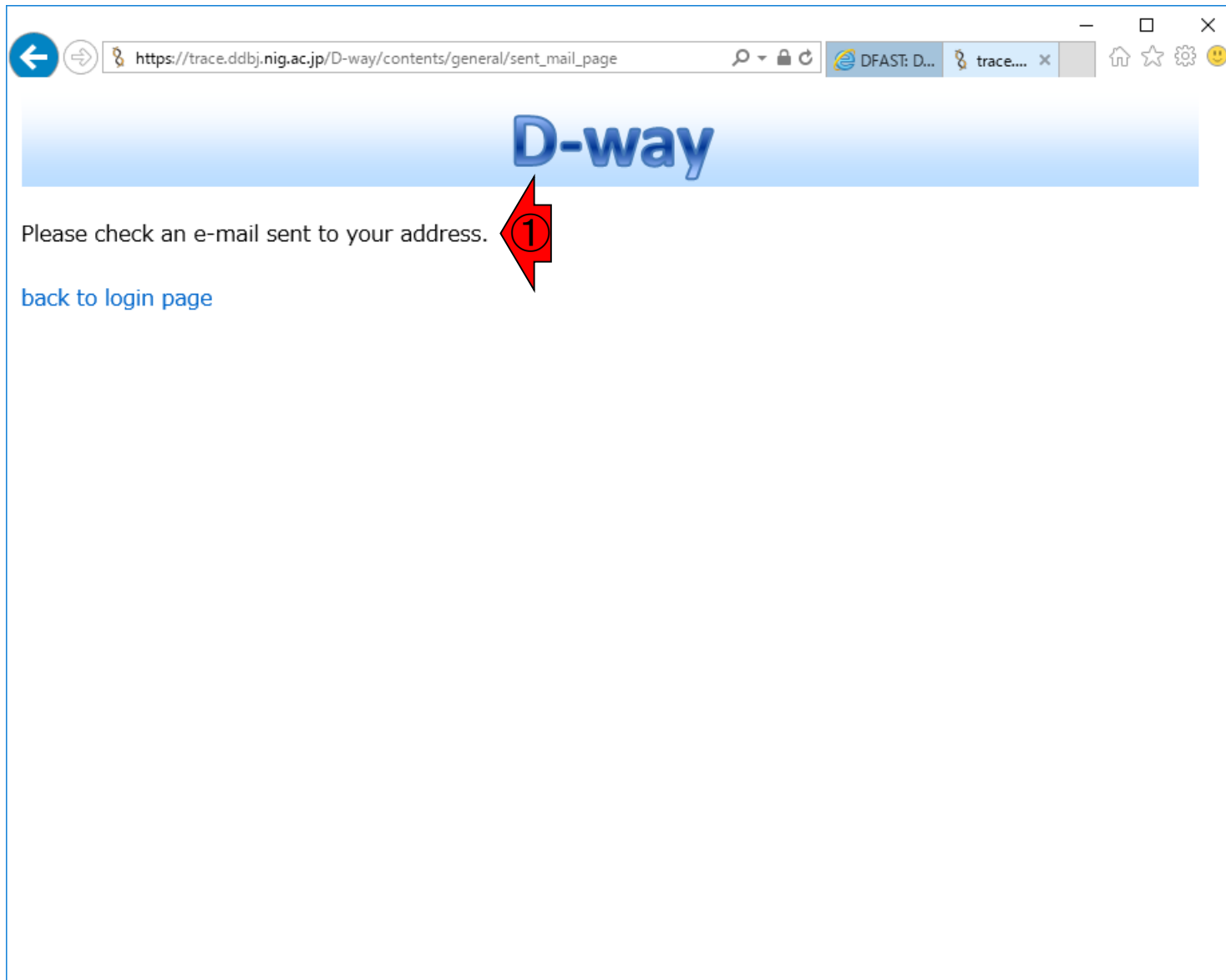
W2-3: 新規アカウント

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/reserve_account_confirm. The page features a blue header with the 'D-way' logo. Below the header is a form titled 'Confirm New Account' with the following details:

- Login ID : ac[masked]ra
- First Name : Koji
- Middle Name : hoge
- Last Name : Kadota
- Email : kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

A 'Create' button is located at the bottom of the form. Below the form, there are two blue links: 'back to account creation page' and 'back to login page'. A red arrow with the number '1' points to the 'back to account creation page' link.

W2-3: 新規アカウント



12時間以内に下記URLをクリックせよと書いているので、①クリック

W2-4: メールが来た

D DDBJ <dway_admin@ddb.j.nig.ac.jp> | kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp
[DDBJ] new submission account

Do NOT reply to this mail

Thank you for requesting an account of DDBJ submission system D-way.

We have reserved an account by your request.

Reserved account information.

Account: aa

Please click following URL within 12 hours to activate your account:
https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/issue_account_page?submitter_id=agribio_ni_suruzura&key=UE5sor0Q78



For security purposes, please change your password periodically.

"Password rule" ·

W2-5: パスワードを作成

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/issue_account_page?submitter. The page features a blue header with the text "D-way". Below the header, the text "Password for a" is followed by four cartoon animal icons and the letter "a". A form titled "Password" contains two input fields: "New Password :" and "Re-enter Password :". Below these fields is a "Strength of New Password" indicator and a "Set" button. At the bottom of the form area, there is a note: "Set a password (longer than 8 characters) which contains both alphabets and numbers".

W2-5:パスワードを作成

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/issue_account_page?submitter

D-way

Password for a

Password

New Password : ●●●●●●●●●●

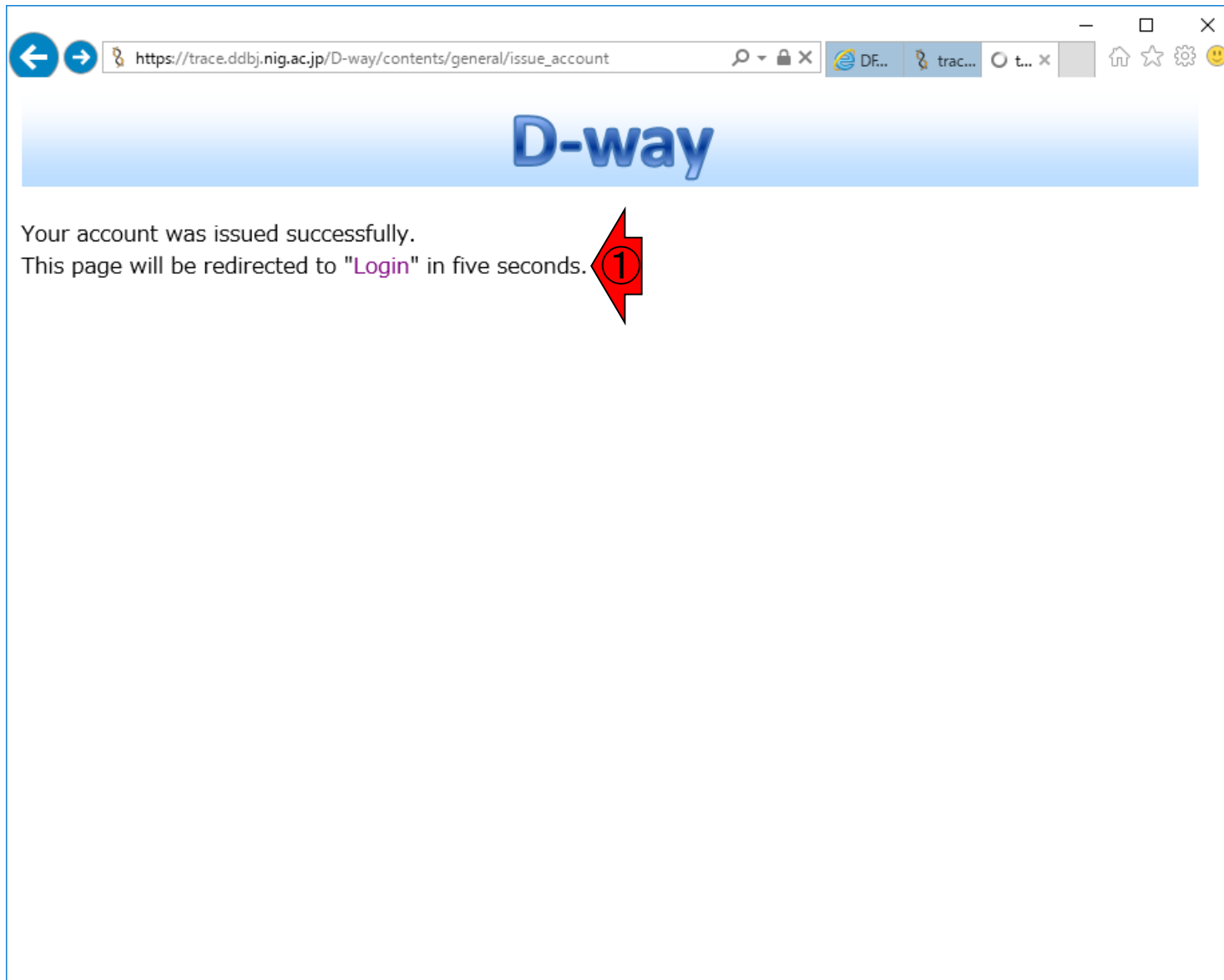
Re-enter Password : ●●●●●●●●●●

Strength of New Password **OK**

Set **①**

Set a password (longer than 7 characters) which contains both alphabets and numbers

W2-6: 無事成功



W3-1: ログインページ

確かにLoginページに飛びました。①確認しておいてください。念のため②をクリック

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/login_form. The page features the "D-way" logo and the text "DDBJ Submission Portal D-way". Below this, it says "Login to submit data to DDBJ BioProject, BioSample and Sequence Read Archive (DRA)". There is a "Login" button and a form with fields for "Login ID:" and "Password:". A red box highlights a list of instructions: "Never submit data without the permission of the principal investigator. 研究責任者の許可なくデータを登録しないでください。", "When you are submitting data derived from human subjects, please read 'Data submission of human subjects research'. ヒトに由来するデータを登録する場合は「ヒトを対象とした研究データの登録について」を熟読してください。", and "Forgot username or password ([English](#), [Japanese](#))? [Register for a new account](#)". A red arrow labeled "1" points to the red box, and another red arrow labeled "2" points to the "Register for a new account" link. At the bottom, there is a footer with "Website policy | © DNA Data Bank of Japan" and "Last modified: Mar. 3, 2017 (v3.6)".

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/login_form

D-way

DDBJ Submission Portal D-way

Login to submit data to DDBJ BioProject, BioSample and Sequence Read Archive (DRA)

Login

Login ID:

Password:

Login

- Never submit data without the permission of the principal investigator.
研究責任者の許可なくデータを登録しないでください。
- When you are submitting data derived from human subjects, please read "Data submission of human subjects research".
ヒトに由来するデータを登録する場合は「ヒトを対象とした研究データの登録について」を熟読してください。

Forgot username or password ([English](#), [Japanese](#))?
[Register for a new account](#)

Website policy | © DNA Data Bank of Japan

Last modified: Mar. 3, 2017 (v3.6)

W3-2: ヒトデータの登録

①ヒトを対象とした研究データの登録について、のページ。②登録前審査

HOME > データ登録 >塩基配列の登録 > ヒトを対象とした研究データの登録について 最終更新日: 2015.10.2.

ヒトを対象とした研究データの登録について ①

- 登録の前に
- アクセス制限データベース
- 登録前審査 ②
- 参考情報

登録の前に

ヒトを対象とした全ての研究において DDBJ に送付するデータの由来である個人 (被験者) の情報・プライバシーは、適用されるべき法律、規定、登録者が所属している機関の方針に従い、登録者の責任において保護されている必要があります。

原則として、被験者を直接特定し得る参照情報は、登録データから取り除いてください。

市販の検体以外のヒト由来試料を用いた研究においては、以下の点をご確認ください。

- 提供予定データを産出した実験手法および対象が明記された研究計画書が登録者の所属機関の倫理委員会において承認されている
- 研究計画書・インフォームドコンセント説明同意文書内にデータベースへデータを提供し、研究者間で共有することが記載されている

①ヒト配列が解析対象ではないメタゲノム解析は、審査が不要な例として挙げられている

W3-3: 登録前審査

登録前審査

ヒトの全ゲノム規模配列を登録する場合、必要に応じて、登録前に [National Bioscience Database Center \(NBDC\)](#) において審査を受けてください。

審査が必要な例

患者などの特定個人に由来する全ゲノム配列

審査が不要な例

HeLa 以外の市販のヒト由来細胞株、組織

ヒト配列が解析対象ではないメタゲノム解析

参考情報

- ヒトゲノム・遺伝子解析研究に関する倫理指針
- NBDCヒトデータ共有ガイドライン ver. 2.0

PAGE TOP

W3-4: ログイン

D-wayのトップページに戻り、さきほど取得したログインIDとパスワードを入力して、①Login

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/login_form

D-way

DDBJ Submission Portal D-way

Login to submit data to DDBJ BioProject, BioSample and Sequence Read Archive (DRA)

Login

Login ID:

Password:

Login ①

- Never submit data without the permission of the principal investigator.
研究責任者の許可なくデータを登録しないでください。
- When you are submitting data derived from human subjects, please read "Data submission of human subjects research".
ヒトに由来するデータを登録する場合は「ヒトを対象とした研究データの登録について」を熟読してください。

Forgot username or password ([English](#), [Japanese](#))?
[Register for a new account](#)

Website policy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: Mar. 3, 2017 (v3.6)

<https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/>

W3-5: ログイン後

Account: a [smiley faces] a

Please [register center name and public key](#) at the 'Account' (top right) to submit your data to DRA.
 DRA ヘデータを登録するためには Account (右上) から [center name と公開鍵を登録する](#) 必要があります。

⚠ Use only ASCII characters (English letters) throughout your submission. Non-ASCII characters (for example, Japanese and special characters) are not accepted.
 登録には ASCII 文字 (英語文字) のみを使用してください。非 ASCII 文字 (日本語や特殊文字など) は受け付けていません。

BioProject
 A collection of biological data related to a single initiative, originating from a single organization or from a consortium. You can register a project here and later submit and link sequence data to the project. [Handbook](#)
 ここからプロジェクトのみを登録し、後から配列データを登録してプロジェクトに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

BioSample
 Descriptions of biological source materials used to generate experimental data in any of DDBJ's primary data archives. You can register sample(s) here and later submit and link sequence data to the sample(s). [Handbook](#)
 ここからサンプルのみを登録し、後から配列データを登録してサンプルに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

W4-1:今回は...

NGSデータ(この場合は*de novo*アセンブリ前の生リードのデータ)の登録は、イコール「DRAへのデータの登録」です。今回はDRAへの登録(NGSデータの登録)ではなく、後述するMSSへの登録(アセンブリしてアノテーションした結果のみの登録)なので、①の作業は不必要



The screenshot shows the DDBJ D-way website. The URL is <https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/top>. The page header includes the DDBJ logo and navigation links for D-way TOP, BioProject, and BioSample. The account information shows 'Account: a' with four dog icons. Below this, there are instructions in English and Japanese. A red arrow with the number '1' points to the Japanese instruction: '登録には ASCII 文字 (英語文字) のみを使用してください。非 ASCII 文字 (日本語や特殊文字など) は受け付けていません。' (Please use only ASCII characters (English letters) for registration. Non-ASCII characters (Japanese or special characters, etc.) are not accepted.)

Please [register center name and public key](#) at the 'Account' (top right) to submit your data to DRA.
DRA へデータを登録するためには Account (右上) から [center name と公開鍵を登録する](#) 必要があります。

① Use only ASCII characters (English letters) throughout your submission. Non-ASCII characters (for example, Japanese and special characters) are not accepted.
登録には ASCII 文字 (英語文字) のみを使用してください。非 ASCII 文字 (日本語や特殊文字など) は受け付けていません。

BioProject

A collection of biological data related to a single initiative, originating from a single organization or from a consortium. You can register a project here and later submit and link sequence data to the project. [Handbook](#)
ここからプロジェクトのみを登録し、後から配列データを登録してプロジェクトに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

BioSample

Descriptions of biological source materials used to generate experimental data in any of DDBJ's primary data archives. You can register sample(s) here and later submit and link sequence data to the sample(s). [Handbook](#)
ここからサンプルのみを登録し、後から配列データを登録してサンプルに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

こんなページに飛びます、
というのを示しているだけ

W4-2: 登録情報追加

DRA への登録権限を追加 目次: ↻

DDBJ Sequence Read Archive (DRA) ヘデータを登録するため、アカウントに center name と公開鍵を登録します。Center name は DRA が組織に対して割り振っている略号です。公開鍵はユーザの認証に用いられます。

公開鍵/秘密鍵ペアの生成

- Windows
- Mac OS X
- Unix

Center name と公開鍵の登録

登録アカウントにログインします。"アカウント" ページの "Center Full Name" に組織名を入力し、提示される候補から適切なものを選びます。[Update] をクリックしてアカウントを更新します。

center name を登録

適切な center が登録されていない場合、[Apply new center name] をクリックし、組織のフルネームとともに center の新規登録を DDBJ に申請します。

In this page

- DDBJ 登録アカウント
- ウェブから取得した登録用アカウント
- DRA への登録権限を追加
- 秘密鍵ファイルの変換

PDF Download

- PDF をダウンロード

Submit

- Login & Submit
- Contact

Archives

- News by year: Latest ▼
- FAQs
- Handbooks

W4-3: DRA

The screenshot shows the DDBJ Sequence Read Archive (DRA) homepage. At the top, there is a navigation bar with links for 'Login & Submit', 'Databases', 'English', and 'Contact'. Below this is a search bar with the text 'Google カスタム検索' and a magnifying glass icon. A secondary navigation bar contains buttons for 'Home', 'Handbook', 'FAQ', 'Search', 'Download', 'Pipeline', and 'About DRA'. The main content area features a 'News' section with a date '2017年04月06日' and a headline: 'New: BioProject/BioSample/DRA システム停止 4/11 16:30 ~ 4/13 11:00 more...'. Below the news is a paragraph of text explaining that DRA is a database for next-generation sequencing data from various platforms like Roche 454 GS System, Illumina Genome Analyzer, and Applied Biosystems SOLiD System. It mentions that DRA is a member of the International Nucleotide Sequence Database Collaboration (INSDC) and collaborates with NCBI Sequence Read Archive (SRA) and EBI Sequence Read Archive (ERA). It also notes that data from traditional capillary sequencing is stored in the DDBJ Trace Archive and encourages users to register. At the bottom of the main content area, there are two large buttons: '検索' (Search) with a magnifying glass icon and '登録' (Register) with an open book icon. The footer contains three columns of links: 'Databases' (Nucleotide Sequence Database, Sequence Read Archive, Trace Archive, Omics Archive), 'Resources' (getentry, ARSA, TXSearch, BLAST), and 'DDBJ Information' (DDBJ RSS, DDBJ on Twitter, DDBJ on Youtube, DDBJ on slideshare).

<https://trace.ddbj.nig.ac.jp/dra/index.html>

W4-4: NSSS

①NSSSは記載する内容がそれほど多くない場合に有効なツール

http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/websub-j.html

English

Google™ カスタム検索 Search

塩基配列の登録 プロジェクトの登録 塩基配列の登録前に Flat File の説明 Vector Screening ヘルプ

HOME > データ登録 > 塩基配列の登録 > Web版塩基配列登録システム (NSSS... 最終更新日: 2017.4.6.

Web版塩基配列登録システム (NSSS:DDBJ Nucleotide Sequence Submission System) ①

- Firefox または Chrome の使用を推奨します。Windows10 の Microsoft Edge では動作いたしません。
- 1度に登録可能なエントリ数は 1024件までです(最大数はPC環境や配列長に依存します)。
- ブックマークから submission を再開できます。
- 登録する配列から vector 由来の配列を除いてください。VecScreen で確認できます。
- 本ツールでTPA データの登録も可能です。
- 初めて登録する場合には “塩基配列の登録”、“登録データ種別” について 一読ください。
- 次のいずれかに該当する時には MSS をご利用ください。
 - > 配列が長い(目安は 500 kb 以上)
 - > エントリあたりに多数(概ね30以上)のFeature がある
 - > WGS, CON, TSA, HTC, HTG, EST, GSS, STS の登録

入力ガイド

マニュアル NISSSの紹介 NISSSの紹介 ヘルプページ

W4-5: MSS

①MSSはゲノム全体の配列など大規模な登録に適したツール



The screenshot shows a web browser window displaying the DDBJ (DNA Data Bank of Japan) website. The page title is "MSS とは? - Mass Submission System". The browser's address bar shows the URL "http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mss_flow-j.html". The page features a navigation menu with items like "塩基配列の登録", "プロジェクトの登録", "塩基配列登録の前に", "Flat File の説明", and "お問い合わせ". A red arrow with the number "1" points to the main heading "MSS とは? - Mass Submission System". Below the heading, there is introductory text and a list of conditions for using MSS, such as "エン트리数(登録する配列の数)が多い場合" and "1エン트리あたりに多数(概ね30以上)のFeature がある場合". At the bottom, there are links for "MSS をご利用の前に" and "MSSにおける作業の流れ".

W4-6: BioProject

① BioProjectは研究プロジェクトとそのプロジェクトに由来するデータをまとめるためのデータベース

http://trace.ddbj.nig.ac.jp/bioproject/index.html

DDBJ BioProject - Home

DDBJ
DNA Data Bank of Japan

BioProject

Login & Submit | Databases ▾ | English | Contact

Google カスタム検索

Home Handbook FAQ Search Download ▾ About BioProject

News

2017年04月06日 **New:** [BioProject/BioSample/DRA システム停止 4/11 16:30 ~ 4/13 11:00](#) more...

BioProject は研究プロジェクトとプロジェクトに由来するデータをまとめるためのデータベースです。INSDC が運営するデータベースに登録されたデータが BioProject ID を引用することで、データがプロジェクト単位でグループ化されます。BioProject はゲノム配列決定プロジェクトを管理していた NCBI Genome Project を拡張し、再設計したものです。

DDBJ BioProject は登録されたプロジェクトに対してプレフィックス 'PRJD' のアクセッション番号を発行しています。公開されたプロジェクトデータは EBI/NCBI と共有されます。

登録 動画マニュアル メタデータ

Databases
Nucleotide Sequence Database
Sequence Read Archive
Trace Archive
Genome Archive

Resources
getentry
ARSA
TXSearch
BLAST

DDBJ Information
DDBJ RSS
DDBJ on Twitter
DDBJ on Youtube
DDBJ on GitHub

W4-7: BioSample

①BioSampleはデータが由来するサンプル
についての情報を収集したデータベース

W4-8: GSC MixS

The screenshot shows the main page of the Genomic Standards Consortium (GSC) Wiki. The browser address bar displays the URL `http://wiki.gensc.org/index.php?title=Main_Page`. The page header features the GSC logo and the tagline "towards a richer set of information to describe our complete genome collection". A search bar is located on the right side of the header. Below the header, there is a navigation menu with links for "About the GSC", "Projects", "Resources", "Wiki Pages", "Toolbox", and "Personal tools". The main content area is titled "Main Page" and contains a horizontal banner image with four panels: a green globe, purple flowers, a green lizard, and a purple flower with a bee. On the left side, there is a "Quick Links" section with a list of links. A red arrow with the number "1" points to the GSC logo, and another red arrow with the number "2" points to the "MixS" link in the Quick Links section.

①

②

W5-1 : D-wayログイン後

Account: a

Please [register center name and public key](#) at the 'Account' (top right) to submit your data to DRA.
DRAへデータを登録するためには Account (右上) から [center name と公開鍵を登録する](#) 必要があります。

ⓘ Use only ASCII characters (English letters) throughout your submission. Non-ASCII characters (for example, Japanese and special characters) are not accepted.
登録には ASCII 文字 (英語文字) のみを使用してください。非 ASCII 文字 (日本語や特殊文字など) は受け付けていません。

BioProject

A collection of biological data related to a single initiative, originating from a single organization or from a consortium. You can register a project here and later submit and link sequence data to the project. [Handbook](#)
ここからプロジェクトのみを登録し、後から配列データを登録してプロジェクトに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

BioSample

Descriptions of biological source materials used to generate experimental data in any of DDBJ's primary data archives. You can register sample(s) here and later submit and link sequence data to the sample(s). [Handbook](#)
ここからサンプルのみを登録し、後から配列データを登録してサンプルに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

W5-2: BioProject

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_submission_list

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject submission list for a

New submission

To update an existing record or recent submission, please send your request with your Submission ID or BioProject accession included ([English](#), [Japanese](#)).

No Submission

W5-3: Submitter追加

このデータのSubmitterは3名なので、①Add another submitter

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_submitter_form?submission_id= Submission: PSUB0070... x

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name : Koji *Last name : Kadota

*E-mail : kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

[+ Add another submitter](#) ①

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization :

Submitting organization URL :

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)

Release immediately following curation

Continue

W5-3: Submitter追加

The screenshot shows a web browser window displaying the DDBJ BioProject submission form. The browser address bar shows the URL: https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_submitter_form?submission_id=. The page title is "BioProject Submission ID: PSUB007096". The navigation menu includes "SUBMITTER", "GENERAL INFO", "PROJECT TYPE", "TARGET", "PUBLICATION", and "OVERVIEW". The "SUBMITTER" tab is active, showing a form with two submitter entries. The first entry has "First name: Koji" and "*Last name: Kadota". The second entry has empty fields for "First name" and "*Last name". Below the form, there is a section for "Enter submitting organization" with fields for "*Submitting organization" and "Submitting organization URL". At the bottom, there is a "Data Release" section with radio buttons for "Hold (not viewable until the release of linked data)" and "Release immediately following curation". A "Continue" button is located at the bottom left of the form.

Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name: Koji *Last name: Kadota

*E-mail: kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

First name: *Last name:

*E-mail:

[Add another submitter](#)

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization:

Submitting organization URL:

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)

Release immediately following curation

Continue

W5-3: Submitter追加

①2人目のsubmitter情報を追加したのち、再度②Add another submitter

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_submitter_form?submission_id= Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name: Koji *Last name: Kadota
*E-mail: kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

First name: Yasuhiro *Last name: Tanizawa
*E-mail: [redacted]

[+ Add another submitter](#)

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization :
Submitting organization URL :

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)
 Release immediately following curation

Continue

W5-3: Submitter追加

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_submitter_form?submission_id= Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name: Koji *Last name: Kadota
*E-mail: kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

First name: Yasuhiro *Last name: Tanizawa
*E-mail: [DDBJ icons]

First name: Masanori *Last name: Tohno
*E-mail: [DDBJ icons]

+ Add another submitter

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization: [input]
Submitting organization URL: [input]

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)



W5-4: Organization

① Organizationでは、コンタクトパーソンの所属する組織のフルネームとそのURLを入力

Submission: PSUB0070...

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name : Koji *Last name : Kadota

*E-mail : kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

First name : Yasuhiro *Last name : Tanizawa

*E-mail : [masked]

First name : Masanori *Last name : Tohno

*E-mail : [masked]

[+ Add another submitter](#)

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization : [input field]

Submitting organization URL : [input field]

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)

Release immediately following curation

Continue

W5-4: Organization

Submission: PSUB0070...

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name : Koji *Last name : Kadota

*E-mail : kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

First name : Yasuhiro *Last name : Tanizawa

*E-mail : [masked]

First name : Masanori *Last name : Tohno

*E-mail : [masked]

[Add another submitter](#)

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization : Institute of Livestock and Grassland Science

Submitting organization URL : http://www.naro.affrc.go.jp

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

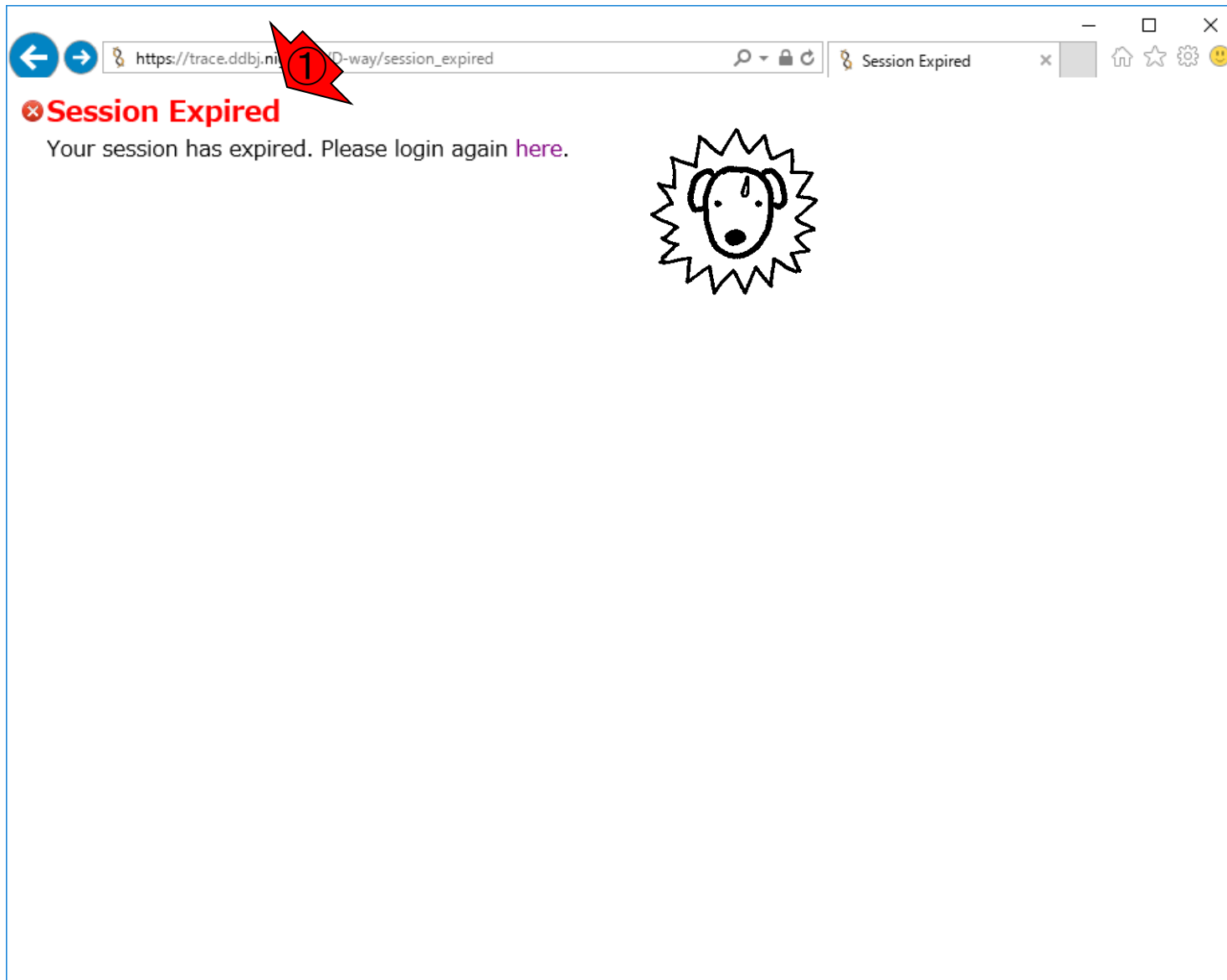
Hold (not viewable until the release of linked data)

Release immediately following curation

Continue

①こんな感じになってしま
いますので注意しましうw

W5-5: ちんたらしてると...



W5-6: Project title

改めてログインし直したところ。①Project titleでは、プロジェクトの内容を表す短いタイトルを入力する。これは公開されたプロジェクトのタイトルとして使われる)

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_general_info_form?submission_i Submission: PSUB007096

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Project Description

*Project title [?]:

*Description [?]:

Provide a description (a paragraph) of the study goals and relevance (more than 100 characters).

Private comments to DDBJ staff [?]:

Relevance [?]:

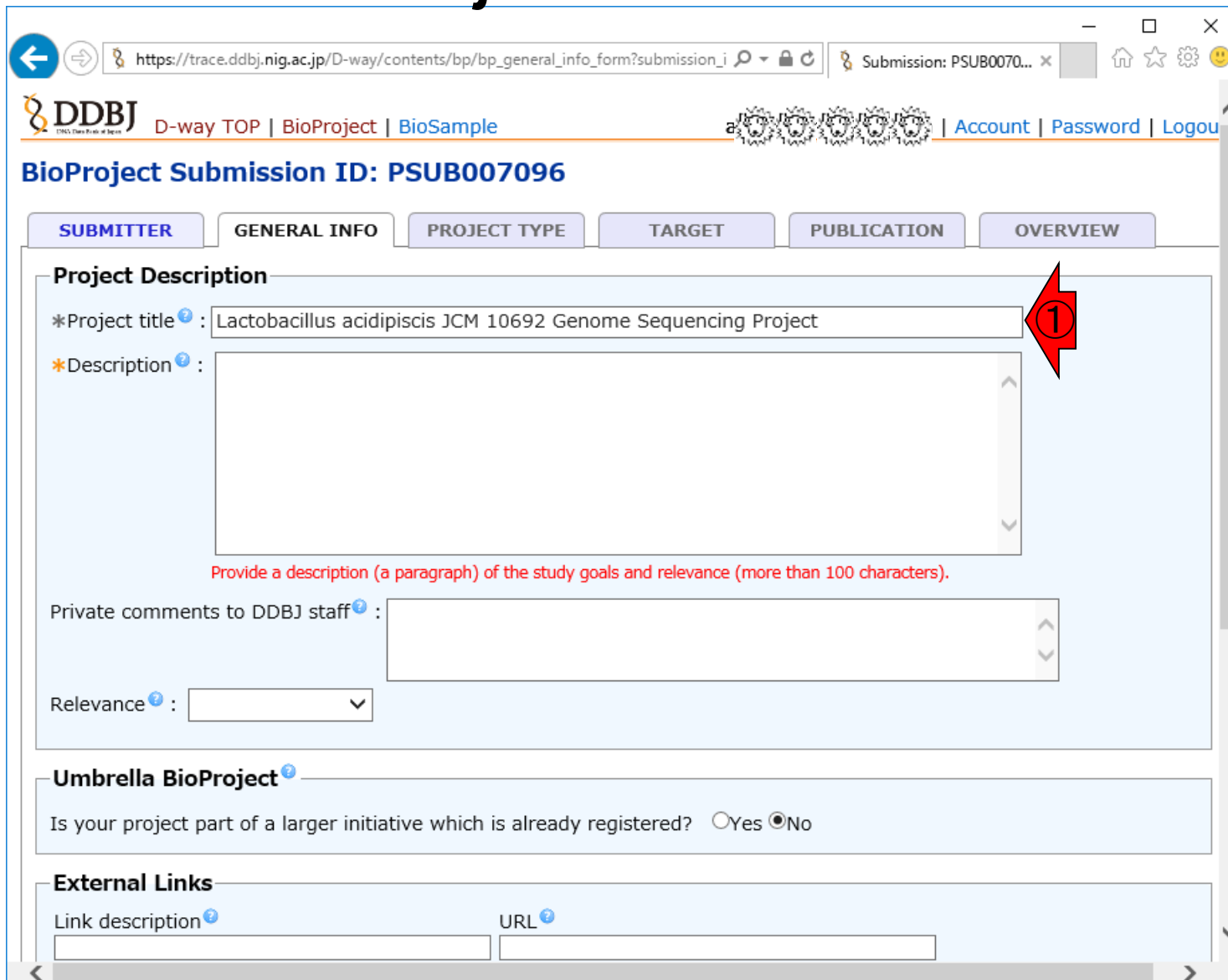
Umbrella BioProject [?]

Is your project part of a larger initiative which is already registered? Yes No

External Links

Link description [?] URL [?]

W5-6: Project title



https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_general_info_form?submission_i Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Project Description

*Project title: Lactobacillus acidipiscis JCM 10692 Genome Sequencing Project

*Description:

Provide a description (a paragraph) of the study goals and relevance (more than 100 characters).

Private comments to DDBJ staff:

Relevance:

Umbrella BioProject

Is your project part of a larger initiative which is already registered? Yes No

External Links

Link description URL

W5-7: Description

①Descriptionは研究対象やゴールに関する記載。第三者がデータを解釈することができるように十分な量(100文字以上)の情報を記入します。ここでは、こんな感じで書いてみました

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_general_info_form?submission_i Submission: PSUB007096

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Project Description

*Project title: Lactobacillus acidipiscis JCM 10692 Genome Sequencing Project

*Description: Lactobacillus acidipiscis is a homofermentative lactic acid bacteria originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in 2000. This project was conducted as a part of hands-on training of NGS data analysis published on the Japanese Journal of Lactic Acid Bacteria.

Provide a description (a paragraph) of the study goals and relevance (more than 100 characters).

Private comments to DDBJ staff:

Relevance:

Umbrella BioProject

Is your project part of a larger initiative which is already registered? Yes No

External Links

Link description URL

W5-8: Relevance

①Relevanceでは、最も関連性が高い分野を選択する。ここでは②Agriculturalとしました

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_general_info_form?submission_i Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Project Description

*Project title: Lactobacillus acidipiscis JCM 10692 Genome Sequencing Project

*Description: Lactobacillus acidipiscis is a homofermentative lactic acid bacteria originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in 2000. This project was conducted as a part of hands-on training of NGS data analysis published on the Japanese Journal of Lactic Acid Bacteria.

Provide a description (a paragraph) of the study goals and relevance (more than 100 characters).

Private comments to DDBJ staff:

Relevance: **Agricultural**

Medical

Industrial

Environmental

Evolution

ModelOrganism

Other

Umbrella Bi Is your project initiative which is already registered? Yes No

External Lin Link description URL

W5-9: Continue

①ページ下部に移動。② Grant 情報
などがあれば記入して、③ Continue

Private comments to DDBJ staff [?]:

Relevance [?]: Agricultural

Umbrella BioProject [?]

Is your project part of a larger initiative which is already registered? Yes No

External Links

Link description [?] URL [?]

[+ Add another link](#)

Enter grant information.
e.g. Ministry of Education, Culture, Sports, Science and Technology (MEXT), 221S0002, Genome Science.

Grants

Agency [?]	Agency abbreviation [?]	Grant ID [?]	Grant title [?]
<input type="text"/>	<input type="text"/>	<input type="text"/>	<input type="text"/>

[+ Add another grant](#)

Consortium

Consortium name [?]:

Consortium URL [?]:

① points to the bottom right corner of the form area.
② points to the 'Enter grant information' text.
③ points to the 'Continue' button.

W5-10: PROJECT TYPE

[DDBJ](#) D-way TOP | [BioProject](#) | [BioSample](#) | [Account](#) | [Password](#) | [Logout](#)

BioProject Submission ID: PSUB00196

[SUBMITTER](#) | [GENERAL INFO](#) | **PROJECT TYPE** | [TARGET](#) | [PUBLICATION](#) | [OVERVIEW](#)

A general label indicating the primary study goal.

***Project data type**

- Genome Sequencing :
- Clone Ends :
- Epigenomics :
- Exome :
- Map :
- Metagenome :
- Phenotype and Genotype :
- Proteome :
- Random Survey :
- Targeted Locus (Loci):
- Transcriptome or Gene Expression :
- Variation :
- Other :

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope : *Material : *Capture :

*Methodology :

W5-11 : Project data type

今回我々はゲノム配列データを登録するので、①Project data type
では、②Genome Sequencing

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_project_type_form?submission_i Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

A general label indicating primary study goal.

***Project data type**

Genome Sequencing :	<input checked="" type="checkbox"/>
Clone Ends :	<input type="checkbox"/>
Epigenomics :	<input type="checkbox"/>
Exome :	<input type="checkbox"/>
Map :	<input type="checkbox"/>
Metagenome :	<input type="checkbox"/>
Phenotype and Genotype :	<input type="checkbox"/>
Proteome :	<input type="checkbox"/>
Random Survey :	<input type="checkbox"/>
Targeted Locus (Loci):	<input type="checkbox"/>
Transcriptome or Gene Expression :	<input type="checkbox"/>
Variation :	<input type="checkbox"/>
Other :	<input type="checkbox"/>

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope : *Material : *Capture :

*Methodology : Sequencing

W5-12: Sample scope

①ページ下部に移動。②Sample scopeは、③Monoisolate (単一の細胞、培養細胞のセルライン)

Targeted Locus (Loci):

Transcriptome or Gene Expression:

Variation:

Other:

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample Scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope: **②** Material: *Capture:

*Methodology: **③**

Project goals with respect to the type of data that will be generated and submitted to an INSDC-associated database.

Objective

Raw Sequence Reads:

Sequence:

Analysis:

Assembly:

Annotation:

Variation:

Epigenetic Markers:

Expression:

Maps:

Phenotype:

Other:

Continue

①

W5-13: Material

Submission: PSUB0070...

Targeted Locus (Loci):

Transcriptome or Gene Expression:

Variation:

Other:

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture Methodology

*Sample scope: *Material: *Capture:

*Methodology:

Project goals with respect to the type of data that will be submitted to an INSDC-associated database.

***Objective**

Raw Sequence Reads:

Sequence:

Analysis:

Assembly:

Annotation:

Variation:

Epigenetic Markers:

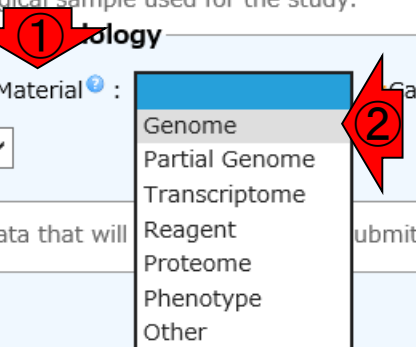
Expression:

Maps:

Phenotype:

Other:

Continue



W5-14: Capture

Targeted Locus (Loci):

Transcriptome or Gene Expression:

Variation:

Other:

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope: *Material: *Capture:

*Methodology:

Project goals with respect to the type of data that will be generated and submitted to an archive.

***Objective**

Raw Sequence Reads:

Sequence:

Analysis:

Assembly:

Annotation:

Variation:

Epigenetic Markers:

Expression:

Maps:

Phenotype:

Other:

Continue

W5-15: Objective

①Objectiveは、②Sequence, Assembly, Annotationが該当する。ゲノム塩基配列情報だし、ゲノムをアセンブルしたものだし、DFASTアノテーション結果も登録するからである

Targeted Locus (Loci):

Transcriptome or Gene Expression:

Variation:

Other:

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope: *Material: *Capture:

*Methodology:

Project goals with respect to the type of data that will be generated and submitted to an INSDC-associated database.

***Objective**

Raw Sequence Reads:

Sequence:

Analysis:

Assembly:

Annotation:

Variation:

Epigenetic Markers:

Expression:

Maps:

Phenotype:

Other:

Locus tag prefix

①

②

W6-1 : Locus tag prefix

①第9回でも紹介したLocus tag prefixは、②Sequenceのところをチェックを入れたときに表示する

Submission: PSUB0070...

Targeted Locus (Loci):
Transcriptome or Gene Expression :
Variation :
Other :

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope: *Material: *Capture:
*Methodology:

Project goals with respect to the type of data that will be generated and submitted to an INSDC-associated database.

***Objective**

Raw Sequence Reads :
Sequence : ②
Analysis :
Assembly :
Annotation :
Variation :
Epigenetic Markers :
Expression :
Maps :
Phenotype :
Other : ①

Locus tag prefix

W6-1 : Locus tag prefix

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology


*Sample scope : Monoisolate *Material : Genome *Capture : Whole

*Methodology : Sequencing

Project goals with respect to the type of data that will be generated and submitted to an INSDC-associated database.

***Objective**

Raw Sequence Reads :

Sequence : 

Analysis :

Assembly :

Annotation :


Variation :

Epigenetic Markers :

Expression :

Maps :

Phenotype :

Other : 

Locus tag prefix

Continue

① *L. acidipiscis* 10692^Tの登録なので、とりあえず① *Lacidipiscis*として、② Continue

W6-1 : Locus tag prefix

Indicates the scope and purity of the biological sample used for the study.

Sample scope/Material/Capture/Methodology

*Sample scope : Monoisolate *Material : Genome *Capture : Whole

*Methodology : Sequencing

Project goals with respect to the type of data that will be generated and submitted to an INSDC-associated database.

***Objective**

Raw Sequence Reads :

Sequence :

Analysis :

Assembly :

Annotation :

Variation :

Epigenetic Markers :

Expression :

Maps :

Phenotype :

Other :

Locus tag prefix

Lacidipiscis

Continue

W6-2: TARGET

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL. The page title is "BioProject Submission ID: PSUB007096". The navigation tabs are SUBMITTER, GENERAL INFO, PROJECT TYPE, TARGET (highlighted with a red arrow and a circled '1'), PUBLICATION, and OVERVIEW. The "Organism information" section contains the following fields:

- *Organism name: Taxonomy ID:
- Novel organism:
- Strain, breed, cultivar: OR Isolate name or label:
- Description:

Below the form, there are expandable sections for:

- ▶ General Properties
- ▶ Organism Replicons
- ▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

- ▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

- ▶ Ecological Environment

At the bottom left, there is a "Continue" button.

W6-2: TARGET

Organism nameのところに、①
*Lactobacillus acidipiscis*と入力して
みると、下に3つの候補が現れた

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Organism information

*Organism name: Taxonomy ID:

Novel organism:

Strain, breed, cultivar:

Description:

- Lactobacillus acidipiscis [id : 89059]
- Lactobacillus acidipiscis DSM 15836 [id : 1423716]
- Lactobacillus acidipiscis KCTC 13900 [id : 1046599]

▶ General Properties
▶ Organism Replicons
▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

▶ Ecological Environment

Continue

W6-2: TARGET

登録したいデータは *Lactobacillus acidipiscis* 10692^T。下の2つは違うだろうと思い、とりあえず①を選択

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Organism information

*Organism name: Lactobacillus acidipiscis X Taxonomy ID: []

Novel organism: Lactobacillus acidipiscis [id : 89059] ①

Strain, breed, cultivar: Lactobacillus acidipiscis DSM 15836 [id : 1423716] : []

Description: Lactobacillus acidipiscis KCTC 13900 [id : 1046599]

▶ General Properties
▶ Organism Replicons
▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

▶ Ecological Environment

Continue

W6-2: TARGET

そうすると、①のようにTaxonomy IDの欄に自動で選択したもののID情報が追加される

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Organism information

*Organism name : Lactobacillus acidipiscis X Taxonomy ID : 89059 ①

Novel organism :

Strain, breed, cultivar : OR Isolate name or label :

Description :

▶ General Properties
▶ Organism Replicons
▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

▶ Ecological Environment

Continue

W6-2: TARGET

このデータはJCMに登録された*L. acidipiscis*の基準株なので、①JCM 10692

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Organism information

*Organism name: Lactobacillus acidipiscis Taxonomy ID: 89059

Novel organism:

Strain, breed, cultivar: JCM 10692 OR Isolate name or label:

Description:

▶ General Properties
▶ Organism Replicons
▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

▶ Ecological Environment

Continue

W6-2: TARGET

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Organism information

*Organism name: Lactobacillus acidipiscis Taxonomy ID: 89059

Novel organism:

Strain, breed, cultivar: JCM 10692 OR Isolate name or label:

Description: Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)

- ▶ General Properties
- ▶ Organism Replicons
- ▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

- ▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

- ▶ Ecological Environment

Continue



W6-2: TARGET

(ここでは入力しないが) 赤枠内も可能な範囲で入力して、①Continue

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_target_form?submission_id=PSL Submission: PSUB0070...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioProject Submission ID: PSUB007096

SUBMITTER GENERAL INFO PROJECT TYPE TARGET PUBLICATION OVERVIEW

Organism information

*Organism name: Lactobacillus acidipiscis Taxonomy ID: 89059

Novel organism:

Strain, breed, cultivar: JCM 10692 OR Isolate name or label:

Description: Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)

▶ General Properties

▶ Organism Replicons

▶ Phenotype

Please describe the general morphology if known.

▶ Prokaryote Morphology

Please indicate the general habitat for any organism. Please indicate additional extremophile parameters if known.

▶ Ecological Environment

Continue

①

W6-3: PUBLICATION

①今はPUBLICATIONのところ。このデータの論文の予定はないので、②Continue

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_publication_form?submission_ic. The page title is "BioProject Submission ID: PSUB007096". The navigation menu includes "SUBMITTER", "GENERAL INFO", "PROJECT TYPE", "TARGET", "PUBLICATION", and "OVERVIEW". The "PUBLICATION" tab is selected and highlighted with a red arrow labeled "①". Below the tabs, there is a "Publication" section with input fields for "PubMed ID" and "OR DOI", and a link to "Add another publication". At the bottom left of this section is a "Continue" button, which is highlighted with a red arrow labeled "②".

W6-4: OVERVIEW

①今はOVERVIEWのところ。②ページ下部までざ〜っと全体をチェック

Submission: PSUB007096

[SUBMITTER](#) | [GENERAL INFO](#) | [PROJECT TYPE](#) | [TARGET](#) | [PUBLICATION](#) | **OVERVIEW**

SUBMITTER

Submitter 1	
First name	Koji
Last name	Kadota
E-mail	kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

Submitter 2	
First name	Yasuhiro
Last name	Tanizawa
E-mail	[REDACTED]

Submitter 3	
First name	Masanori
Last name	Tohno
E-mail	[REDACTED]

Organization	
Submitting organization	Institute of Livestock and Grassland Science, National Agriculture and Food Research Organization
Submitting organization URL	http://www.naro.affrc.go.jp

修正すべき事柄があれば修正。
問題なければ①Submit、②OK

W6-5: 問題なければ...

Sample scope / Material / Capture / Methodology

Sample scope	Monoisolate
Material	Genome
Capture	Whole
Methodology	Sequencing

Objective

Objective	Sequence , Assembly , Annotation
-----------	----------------------------------

Locus tag prefix

Locus tag prefix	Lacidipiscis
------------------	--------------

TARGET


Organism information

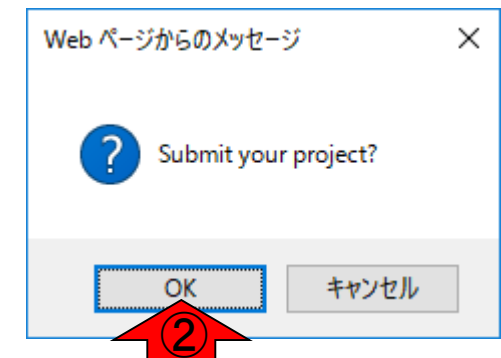
Organism name	Lactobacillus acidipiscis
Taxonomy ID	89059
Strain, breed, cultivar	JCM 10692
Description	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)

PUBLICATION

Publication 1

PubMed ID	
DOI	

Submit 



W6-6: Submit終了後

①Submittedになっています。最初のNo submissionの状態(W5-2)と異なっていることがわかります

The screenshot shows a web browser window displaying the DDBJ BioProject submission list. The URL is https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bp/bp_submission_list. The page header includes the DDBJ logo and navigation links for D-way TOP, BioProject, and BioSample. Below the header, there is a "New submission" button and a note: "To update an existing record or recent submission, please send your request with your Submission ID or BioProject accession included ([English](#), [Japanese](#))." The main content is a table with the following data:

BioProject Submission ID	BioProject Accession	Status	Title
PSUB007096	-----	Submitted	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692 Genome Sequencing Project

A red arrow with the number 1 points to the "Submitted" status in the table.

W6-7: Accession番号キタ

①BioProjectアクセッション番号はPRJDB5682。このときは確か、週末金曜日の夜にsubmissionボタンを押して、火曜日の午前にメールがきました

Dear Koji Kadota, Masanori Tohno and Yasuhiro Tanizawa,

Thank you for your submission to the DDBJ BioProject.

The BioProject(s) has been successfully registered in the DDBJ BioProject database.

** Summary of registered BioProject(s) is listed below. **

PSUB ID	BioProject Accession	Organism name	Hold/Release
PSUB007096	PRJDB5682	Lactobacillus acidipiscis	Hold



Data release

"Hold"
The BioProject record is automatically released when the DDBJ and DRA records citing these accession numbers are published.

Please see the following websites.

BioProject:
http://trace.ddbj.nig.ac.jp/bioproject/submission_e.html#Release_of_projects

"Release"
The released BioProject is available on the DDBJ listing pages and NCBI.

DDBJ BioProject

<http://trace.ddbj.nig.ac.jp/BPSearch/>

NCBI BioProject

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/bioproject/>

Citation of accession numbers

In general, do not cite the BioProject accession number. You should cite the accession numbers that are assigned to your data submissions, e.g. the DDBJ, WGS or DRA accession numbers.

Do NOT cite the PSUB IDs, these are just temporary IDs for the submission process.

FAQ: "Which accession numbers should be cited in publication?"

http://trace.ddbj.nig.ac.jp/faq/dra-accession_e.html

Update

BioProject and BioSample:
Contact us to update the records.

2017-04-11

Sincerely yours,

DDBJ BioProject

E-mail: bioproject@ddbj.nig.ac.jp

W7-1 : BioSample



Browser address bar: <https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/general/top>

Account: [User Avatars] | [Account](#) | [Password](#) | [Logout](#)

Account: a [User Avatars] a

Please [register center name and public key](#) at the 'Account' (top right) to submit your data to DRA.
DRAへデータを登録するためには Account (右上) から [center name と公開鍵を登録する](#) 必要があります。

❗ Use only ASCII characters (English letters) throughout your submission. Non-ASCII characters (for example, Japanese and special characters) are not accepted.
登録には ASCII 文字 (英語文字) のみを使用してください。非 ASCII 文字 (日本語や特殊文字など) は受け付けていません。

BioProject

A collection of biological data related to a single initiative, originating from a single organization or from a consortium. You can register a project here and later submit and link sequence data to the project. [Handbook](#)
ここからプロジェクトのみを登録し、後から配列データを登録してプロジェクトに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

BioSample

Descriptions of biological source materials used to generate experimental data in any of DDBJ's primary data archives. You can register sample(s) here and later submit and link sequence data to the sample(s). [Handbook](#)
ここからサンプルのみを登録し、後から配列データを登録してサンプルに関連付けることができます。 [マニュアル](#)

W7-1 : BioSample

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_list

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample | Account | Password | Logout

BioSample submission list for a

New submission

To update an existing record or recent submission, please send your request with your Submission ID or BioSample accession included ([English](#), [Japanese](#)).

No Submission

W7-2: SUBMITTER

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submitter_form?submission_id=5 Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name : *Last name :

*E-mail :

[Add another submitter](#)

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization :

Submitting organization URL :

W5-3と同じように入力
したのち、①Continue

W7-2: SUBMITTER

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submitter_form?submission_id= Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Submitter

First name: Koji *Last name: Kadota
*E-mail: kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

First name: Yasuhiro *Last name: Tanizawa
*E-mail: [masked]

First name: Masanori *Last name: Tohno
*E-mail: [masked]

[+ Add another submitter](#)

Enter submitting organization.

Organization

*Submitting organization: | Agriculture and Food Research Organization
Submitting organization URL: http://www.naro.affrc.go.jp

Continue **①**

W7-3: GENERAL INFO

① External Linksのところに何か情報を入力したほうがいいのだろう…

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_general_info_form?submission_ic Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

- Hold (not viewable until the release of linked data)
- Release immediately following curation

External Links

Link description	URL
<input type="text"/>	<input type="text"/>

[+ Add another link](#)

Comments

Private comments to DDBJ staff :

Continue

W7-3: GENERAL INFO

①JCM Catalogue中に、②今回登録しようとしている*L. acidipiscis* 10692^Tの情報が掲載されているので、とりあえずそれを与えることにする

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_general_info_form?subr

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)

Release immediately following curation

External Links

Link description URL

[Add another link](#)

Comments

Private comments to DDBJ staff :

Continue

http://www.jcm.riken.jp/cgi-bin/jcm/jcm_number?JCM=10692 JCM Catalogue

JCM Catalogue ①

***Lactobacillus acidipiscis* Tanasupawat et al. 2000**

[Taxonomy in NCBI database: Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Lactobacillales; Lactobacillaceae.](#)

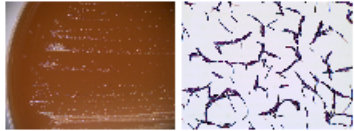
10692^T <-- S. Tanasupawat FS60-1.
Accessioned in 1999.
=CCUG 46556 =CIP 106750 =DSM 15836 =HSCC 1411
=NBRC 102163 =NRIC 0300 =PCU 207 =TISTR 1386.
Type strain [4758].
Medium: [13](#); Temperature: 30°C; Rehydration fluid: [663](#).

Source: Fermented fish (Pla-ra), Thailand [4758].
Biochemistry/Physiology: [4758].
Cell wall: L-Lys-D-Asp [4758].
Fatty acid: [4758].
G+C (mol%): 38.7 (HPLC) [4758].
DNA-DNA relatedness: [4758].
Phylogeny: 16S rRNA gene ([AB023836](#), [LC145575](#)) [4758].
NCBI Taxonomy ID: [89059](#).

Delivery category: [Domestic](#), A or C; [Overseas](#), A or C.

Viability and purity assays of this product were performed at the time of production as part of quality control. The authenticity of the culture was confirmed by analyzing an appropriate gene sequence, e.g., the 16S rRNA gene for prokaryotes, the D1/D2 region of LSU rRNA gene, the ITS region of the nuclear rRNA operon, etc. for eukaryotes. The characteristics and/or functions of the strain appearing in the catalogue are based on information from the corresponding literature and JCM does not guarantee them.

[Instructions for an order](#)
[Go to JCM Top Page](#)



[open link in new window](#) [open link in new window](#)

W7-3: GENERAL INFO

← → https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_general_info_form?sub...

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATT

Specify when this submission should be released to the public.

Data Release

Hold (not viewable until the release of linked data)
 Release immediately following curation

External Links

Link description URL

JCM Catalogue for Lactobacillus acidipiscis [www.jcm.riken.jp/cgi...](http://www.jcm.riken.jp/cgi-bin/jcm/jcm_number?JCM=10692)

[Add another link](#)

Comments

Private comments to DDBJ staff :

Continue

← → http://www.jcm.riken.jp/cgi-bin/jcm/jcm_number?JCM=10692 JCM Catalogue

JCM Catalogue

***Lactobacillus acidipiscis* Tanasupawat et al. 2000**

[Taxonomy in NCBI database: Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Lactobacillales; Lactobacillaceae.](#)

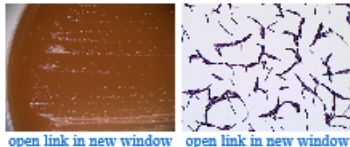
10692^T <-- S. Tanasupawat FS60-1.
 Accessed in 1999.
 =CCUG 46556 =CIP 106750 =DSM 15836 =HSCC 1411
 =NBRC 102163 =NRIC 0300 =PCU 207 =TISTR 1386.
Type strain [4758].
 Medium: [13](#); Temperature: 30°C; Rehydration fluid: [663](#).

Source: Fermented fish (Pla-ra), Thailand [4758].
 Biochemistry/Physiology: [4758].
 Cell wall: L-Lys-D-Asp [4758].
 Fatty acid: [4758].
 G+C (mol%): 38.7 (HPLC) [4758].
 DNA-DNA relatedness: [4758].
 Phylogeny: 16S rRNA gene ([AB023836](#), [LC145575](#)) [4758].
 NCBI Taxonomy ID: [89059](#).

Delivery category: [Domestic](#), A or C; [Overseas](#), A or C.

Viability and purity assays of this product were performed at the time of production as part of quality control. The authenticity of the culture was confirmed by analyzing an appropriate gene sequence, e.g., the 16S rRNA gene for prokaryotes, the D1/D2 region of LSU rRNA gene, the ITS region of the nuclear rRNA operon, etc. for eukaryotes. The characteristics and/or functions of the strain appearing in the catalogue are based on information from the corresponding literature and JCM does not guarantee them.

[Instructions for an order](#)
[Go to JCM Top Page](#)



W7-4: SAMPLE TYPE

① Sample typeを選ばねばならないようだ。② どう見ても下の Other samplesではないので…

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_sample_type_form?submission_ic Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO **SAMPLE TYPE** ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Select the sample type that best describes your samples.
For more information please see the sample type page ([English](#), [Japanese](#)).

Sample type

*Core Package :

- Genome, metagenome or marker sequences ([MIXS compliant](#))
- Other samples (e.g. [transcriptome](#), [epigenetics](#) etc)

Continue

W7-4: SAMPLE TYPE

①上側にチェックを入れたところ。赤枠の中からどれかを選ばねばならないようである。このデータの場合は②Cultured Bacterial/Archaeal Genomic Sequencesにチェック。迷ったら③を眺めるとよい

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_sample_type_form?submission_ic Submission: SSUB00772

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO **SAMPLE TYPE** ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Select the sample type that best describes your samples.
For more information, please see the sample type page ([English](#), [Japanese](#)).

Sample type

Core Package :

- Genome, metagenome or marker sequences ([MIXS compliant](#))
Use for genomes, metagenomes, and marker sequences. These samples include specific attributes that have been defined by the Genome Standards Consortium ([GSC](#)).
- Environmental/Metagenome Genomic Sequences ([MIMS](#))
- Cultured Bacterial/Archaeal Genomic Sequences ([MIGS](#))
- Eukaryotic Genomic Sequences ([MIGS](#))
- Viral Genomic Sequences ([MIGS](#))
- Specimen Marker Sequences ([MIMARKS](#))
- Survey related Marker Sequences ([MIMARKS](#))
- Other samples (e.g. [transcriptome](#), [epigenetics](#) etc)

Environmental package (MIXS Sample)

*Environmental package ([MIXS Sample](#)) :

- No package
- air
- host-associated
- human-associated
- human-cut

W7-4: SAMPLE TYPE

①にチェックを入れたらすぐに、②No packageに自動でチェックが入った

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_sample_type_form?submission_ic Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO **SAMPLE TYPE** ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Select the sample type that best describes your samples.
For more information, please see the sample type page ([English](#), [Japanese](#)).

Sample type

*Core Package :

- Genome, metagenome or marker sequences ([MIXS compliant](#))
Use for genomes, metagenomes, and marker sequences. These samples include specific attributes that have been defined by the Genome Standards Consortium ([GSC](#)).
- Environmental/Metagenome Genomic Sequences ([MIMS](#))
- Cultured Bacterial/Archaeal Genomic Sequences ([MIGS](#))
- Eukaryotic Genomic Sequences ([MIGS](#))
- Viral Genomic Sequences ([MIGS](#))
- Specimen Marker Sequences ([MIMARKS](#))
- Survey related Marker Sequences ([MIMARKS](#))
- Other samples (e.g. [transcriptome](#), [epigenetics](#) etc)

Environmental package (MIXS Sample)

Environmental package ([MIXS Sample](#)) :

- No package
- air
- host-associated
- human-associated
- human-gut

W7-4: SAMPLE T

① ページ下部に移動。赤枠の中から、このサンプルの由来を指定する必要がある。このサンプルの場合は、② host-associatedか③ miscellaneous or artificialのどちらかになると思われる。とりあえず③にして、④ Continue

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_sample_type_form?submission_id=...

- Eukaryotic Genomic Sequences (MIGS)
- Viral Genomic Sequences (MIGS)
- Specimen Marker Sequences (MIMARKS)
- Survey related Marker Sequences (MIMARKS)
- Other samples (e.g. transcriptome, epigenetics etc)

Environmental package (MIXS Sample)

*Environmental package (MIXS Sample) :

- No package
- air
- host-associated ②
- human-associated
- human-gut
- human-oral
- human-skin
- human-vaginal
- microbial mat/biofilm
- miscellaneous or artificial ③
- plant-associated
- sediment
- soil
- wastewater/sludge
- water

Continue ④

W8-1: ATTRIBUTES

①をクリックして、サンプル属性のテンプレートファイル(②MIGS.ba.miscellaneous.txt)をダウンロード。前のページで「miscellaneous or artificial」を選択していたので、miscellaneous用のテンプレートファイルということなのだろう

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_detail?submission_id Submission

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Describe your sample(s) by providing sample attributes.
For more information, please see the sample attribute page ([English](#), [Japanese](#))

Attributes

*Attributes file : 参照...

[Download a template text file for BioSample attributes](#) ①

Download and edit the template text file in spreadsheet or text editor.

- You can submit multiple samples described in lines.
サンプルを複数行に記載し、まとめて登録することができます。
- If you do not have information for the required attribute(s), please provide the value as either 'not collected', 'not applicable' or 'missing'.
必須属性に対する値がない場合は、'not collected', 'not applicable' もしくは 'missing' を記入してください。
- Provide '[organism](#)' and '[taxonomy id](#)' as registered in [NCBI Taxonomy \(for unregistered organism\)](#)
[NCBI Taxonomy](#)に登録されている生物を、'[organism](#)' と '[taxonomy id](#)' に記入してください (未登録の生物の場合)

Continue

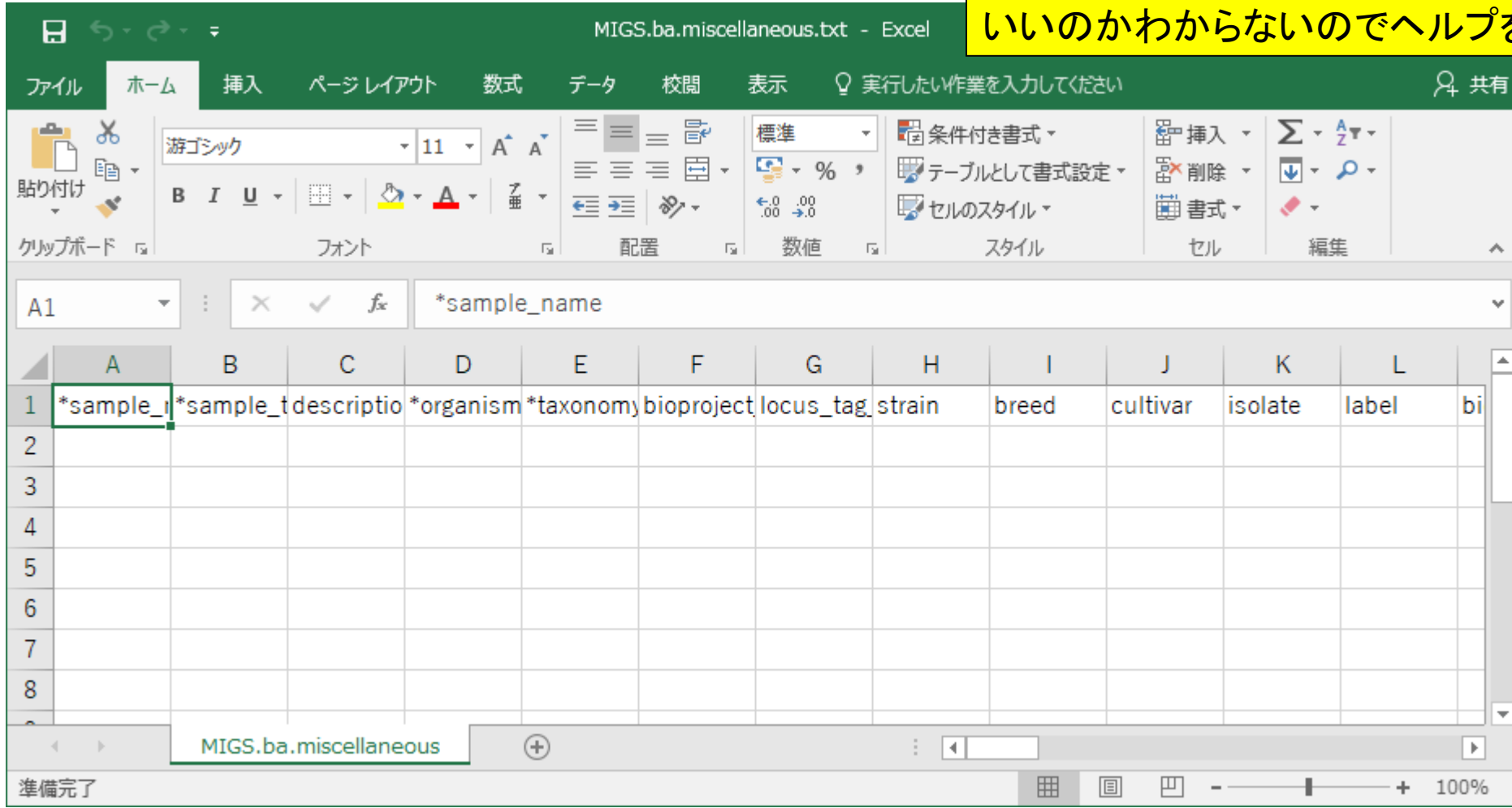
②

trace.ddbj.nig.ac.jp から MIGS.ba.miscellaneous.txt (991 バイト) を開くか、または保存しますか? ③

ファイルを開く(O) 保存(S) キャンセル(C)

W8-2: Excelで眺める

Excel上で①MIGS.ba.miscellaneous.txtを眺めているところ。1行のみからなり、多数の列からなっているようだ。何をどうしたらいいのかわからないのでヘルプを眺める



W8-3: ヘルプ

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_detail?submission_id Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Describe your sample(s) by providing sample attributes.
For more information, please see the sample attribute page ([English](#), [Japanese](#))

Attributes

*Attributes file : 参照...

[Download a template text file for BioSample attributes](#)

Download and edit the template text file in spreadsheet or text editor.

- You can submit multiple samples described in lines.
サンプルを複数行に記載し、まとめて登録することができます。
- If you do not have information for the required attribute(s), please provide the value as either 'not collected', 'not applicable' or 'missing'.
必須属性に対する値がない場合は、'not collected', 'not applicable' もしくは 'missing' を記入してください。
- Provide '[organism](#)' and '[taxonomy id](#)' as registered in [NCBI Taxonomy \(for unregistered organism\)](#)
[NCBI Taxonomy](#)に登録されている生物を、'[organism](#)' と '[taxonomy id](#)' に記入してください ([未登録の生物の場合](#))

Continue

W8-3: ヘルプ

①自分がダウンロードしたひな形と同じものを選択していく

http://trace.ddbj.nig.ac.jp/biosample/attribute.html

DDBJ
Genome Data Bank of Japan

Login & Submit | Databases | English | Contact

Google カスタム検索

Home Handbook **Sample Attribute** FAQ Search Download About BioSample

HOME > Sample Attribute

サンプル属性

List all sample attributes

1 Sample type (Core Package)

- Genome, metagenome or marker sequences (MIX compliant)
- Other samples (e.g. transcriptome, epigenetics etc)

DEFINITION DOWNLOAD

Sample type を選択し、DEFINITION ボタンで attribute の定義と書式を見ることができます。DOWNLOAD ボタンで BioSample ワークシートをダウンロードすることができます。

Sitemap News FAQs Glossary Handbooks Site Policy Privacy Contact Last modified: 2014-03-14

このサイトの内容物はクリエイティブ・コモンズ・ライセンス 表示 2.1のもとでライセンスされています

W8-3: ヘルプ

自分がダウンロードしたひな形と同じものを選択していく。この場合は、①Genome,・・・と②Cultured...

The screenshot shows the DDBJ BioSample website interface. The browser address bar displays <http://trace.ddbj.nig.ac.jp/biosample/attribute.html>. The page header includes the DDBJ logo, navigation links for 'Login & Submit', 'Databases', 'English', and 'Contact', and a search bar with the text 'Google カスタム検索'. A navigation menu contains 'Home', 'Handbook', 'Sample Attribute', 'FAQ', 'Search', 'Download', and 'About BioSample'. The main content area is titled 'サンプル属性' (Sample Attributes) and includes a link 'List all sample attributes'. Two sections are visible: 'Sample type (Core Package)' and 'Environmental package (MIX Sample)'. The 'Sample type' section has a red arrow labeled '1' pointing to the selected option 'Genome, metagenome or marker sequences (MIX compliant)' and another red arrow labeled '2' pointing to 'Cultured Bacterial/Archaeal Genomic Sequences (MIGS)'. Other options in this section include 'Environmental/Metagenome Genomic Sequences (MIMS)', 'Eukaryotic Genomic Sequences (MIGS)', 'Viral Genomic Sequences (MIGS)', 'Specimen Marker Sequences (MIMARKS)', 'Survey related Marker Sequences (MIMARKS)', and 'Other samples (e.g. transcriptome, epigenetics etc)'. The 'Environmental package' section lists options: 'No package', 'air', 'host-associated', 'human-associated', 'human-gut', 'human-oral', and 'human-skin'.

W8-3: ヘルプ

①ページ下部に移動し、② miscellaneous…、③DEFINITION

http://trace.ddbj.nig.ac.jp/biosample/attribute.html

- Viral Genomic Sequences (MIGS)
- Specimen Marker Sequences (MIMARKS)
- Survey related Marker Sequences (MIMARKS)
- Other samples (e.g. transcriptome, epigenetics etc)

Environmental package (MIxS Sample)

- No package
- air
- host-associated
- human-associated
- human-gut
- human-oral
- human-skin
- human-vaginal
- microbial mat/biofilm
- miscellaneous or artificial
- plant-associated
- sediment
- soil
- wastewater/sludge
- water

DEFINITION DOWNLOAD

③

②

①

Sar...pe を選択し、DEFINITION ボタンで attribute の定義と書式を見ることができます。DOWNLOAD ボタンで BioSample ワークシートをダウンロードすることができます。

Sitemap News FAQs Glossary Handbooks Site Policy Privacy Contact Last modified: 2014-03-14

このサイトの内容物はクリエイティブ・コモンズ・ライセンス 表示 2.1のもとでライセンスされています

W8-3: ヘルプ

一瞬何が起こったのかよくわからないが、①の幅が小さくなっている。ページ下部に何か情報があるのだろうと思い、下部に少し移動

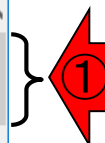
The screenshot shows the DDBJ BioSample website. The browser address bar displays the URL: <http://trace.ddbj.nig.ac.jp/biosample/attribute.html?Core=MIXS&SampleType=MIGS.be>. The page header includes the DDBJ logo, navigation links for "Login & Submit", "Databases", "English", and "Contact", and a search bar with the text "Google カスタム検索". The main navigation menu contains "Home", "Handbook", "Sample Attribute", "FAQ", "Search", "Download", and "About BioSample". The breadcrumb trail shows "HOME > Sample Attribute". The main content area is titled "サンプル属性" (Sample Attributes) and includes a button "List all sample attributes". There are two sections of radio button options: "Sample type (Core Package)" and "Environmental package (MIXS Sample)".

Sample type (Core Package)

- Genome, metagenome or marker sequences (MIXS compliant)
- Environmental/Metagenome Genomic Sequences (MIMS)
- Cultured Bacterial/Archaeal Genomic Sequences (MIGS)
- Eukaryotic Genomic Sequences (MIGS)
- Viral Genomic Sequences (MIGS)
- Specimen Marker Sequences (MIMARKS)
- Survey related Marker Sequences (MIMARKS)
- Other samples (e.g. transcriptome, epigenetics etc)

Environmental package (MIXS Sample)

- No package
- air
- host-associated
- human-associated
- human-gut
- human-oral
- human-skin



W8-3: ヘルプ

①このあたりまでページ下部に移動。アスタリスク(*)のついている②sample_name*や③sample_title*のようなものが必須入力項目なのだろう

microbial mat/biofilm
 miscellaneous or artificial
plant-associated
sediment
soil
wastewater/sludge
water

DEFINITION DOWNLOAD

Sample type を選択し、DEFINITION ボタンで attribute の定義と書式を見ることができます。DOWNLOAD ボタンで BioSample ワークシートをダウンロードすることができます。

Name	Description (Japanese)	Description
sample_name*	sample name は登録者がサンプルに付ける名前です。sample name は Submission においてユニークである必要があります。	The sample name is a name that you choose for the sample. Each sample name must be unique in a submission.
sample_title*	タイトルはサンプルをよく表す簡潔なものを記入します。タイトルは Submission においてユニークである必要があります。例: 1) Escherichia coli O104:H4 str. C227-11 clinical isolate 2010_333_NC-6; 2) CD8+ T cells from female TSG6-knockout BALB/c mouse; 3) Human metagenome isolated from urine of healthy female.	Sample title should be short and informative. Each sample title must be unique in a submission. Examples: 1) Escherichia coli O104:H4 str. C227-11 clinical isolate 2010_333_NC-6; 2) CD8+ T cells from female TSG6-knockout BALB/c mouse; 3) Human metagenome isolated from urine of healthy female.
description	サンプルに対する簡潔な補足情報。	A brief description for the sample.
organism*	NCBI Taxonomy database に登録されている最も下位のランクの生物名 (適切な場合は species まで)。データベースに登録されていない場合、未登録の生物に関する情報をできるだけ記入してください。DDBJ スタッフが NCBI Taxonomy に未登録の生物を申請します。	The most descriptive organism name for this sample (to the species, if relevant) in the NCBI Taxonomy database. If it is not in the database, provide as much information about the organism as possible and the DDBJ staff apply a new organism name to NCBI Taxonomy.
taxonomy_id*	NCBI Taxonomy identifier. 個別の生物、メタゲノム、環境サンプルに割り当てられています。データベースに登録されて	NCBI Taxonomy identifier. This is appropriate for individual organisms, some metagenomes and environmental

W8-4: 納得



http://trace.ddbj.nig.ac.jp/biosample/attribute.html?Core=MlxS&SampleType=MIGS.ba

- microbial mat/biofilm
- miscellaneous or artificial
- plant-associated
- sediment
- soil
- wastewater/sludge
- water

DEFINITION DOWNLOAD

Sample type を選択し、DEFINITION ボタンで attribute の定義と書式を見ることができます。DOWNLOAD ボタンで BioSample ワークシートをダウンロードすることができます。



MIGS.ba.miscellaneous.txt - Excel

ファイル ホーム 挿入 ページレイアウト 数式 データ 校閲 表示 実行したい作業を入力してください 共有

A1 *sample_name

A	B	C	D	E	F	G	H	
1	*sample_name	*sample_title	description	*organism	*taxonomy_id	bioproject_id	locus_tag_prefix	strain
2								
3								

MIGS.ba.miscellaneous

準備完了

Name	Description (Japanese)	Description
sample_name*	sample name (登録者が付与する任意の名称です。The sample name is used to identify the sample.)	
sample_title*	タイトル (タイトルは任意です。例: isolate 2, G6-knockout, related from ...)	
description	サンプルの記述 (NCBI Taxonomy の生物種に属する生物種が登録されている生物種を記述してください。登録の生物種を参照してください。)	
organism*	NCBI Taxonomy の生物種に属する生物種が登録されている生物種を記述してください。登録の生物種を参照してください。	
taxonomy_id*	NCBI Taxonomy の生物種に属する生物種が登録されている生物種を記述してください。登録の生物種を参照してください。	

W8-5: 埋めてみた

このファイルの場合は、全部で82項目分あるが、そのうち*がついた必須事項を含む29項目めまで、何らかの書き込みを行った。行列を入れ替えて表示している

	A	B
1	*sample_name	Lactobacillus acidipiscis 10692T
2	*sample_title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)
3	description	Type strain of Lactobacillus acidipiscis originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in Thailand
4	*organism	Lactobacillus acidipiscis
5	*taxonomy_id	89059
6	bioproject_id	PRJDB5682
7	locus_tag_prefix	Lacidipiscis
8	strain	JCM 10692
9	breed	
10	cultivar	
11	isolate	
12	label	
13	biomaterial_provider	JCM
14	*collection_date	1999
15	*env_biome	not applicable
16	*env_feature	not applicable
17	*env_material	not applicable
18	*geo_loc_name	Thailand
19	*lat_lon	missing
20	*project_name	Genome analysis project of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T
21	*isol_growth_condt	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
22	*ref_biomaterial	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
23	*num_replicons	missing
24	estimated_size	
25	biotic_relationship	
26	encoded_traits	
27	extrachrom_elements	
28	health_disease_stat	
29	host	fermented fish

W8-6: BioProject ID

赤枠のあたりはW6の情報とほぼ同じ。①PRJDB5682は、DDBJからメールで来たID [W6-7]

	A	B
1	*sample_name	Lactobacillus acidipiscis 10692T
2	*sample_title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)
3	description	Type strain of Lactobacillus acidipiscis originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in Thailand
4	*organism	Lactobacillus acidipiscis
5	*taxonomy_id	89059
6	bioproject_id	PRJDB5682
7	locus_tag_prefix	Lacidipiscis
8	strain	JCM 10692
9	breed	
10	cultivar	
11	isolate	
12	label	
13	biomaterial_provider	JCM
14	*collection_date	1999
15	*env_biome	not applicable
16	*env_feature	not applicable
17	*env_material	not applicable
18	*geo_loc_name	Thailand
19	*lat_lon	missing
20	*project_name	Genome analysis project of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T
21	*isol_growth_condt	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
22	*ref_biomaterial	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
23	*num_replicons	missing
24	estimated_size	
25	biotic_relationship	
26	encoded_traits	
27	extrachrom_elements	
28	health_disease_stat	
29	host	fermented fish

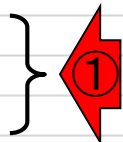


①

値がない場合は、not applicableやmissingなどを使い分けて入力する

W8-7: 値がない場合は

	A	B
1	*sample_name	Lactobacillus acidipiscis 10692T
2	*sample_title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)
3	description	Type strain of Lactobacillus acidipiscis originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in Thailand
4	*organism	Lactobacillus acidipiscis
5	*taxonomy_id	89059
6	bioproject_id	PRJDB5682
7	locus_tag_prefix	Lacidipiscis
8	strain	JCM 10692
9	breed	
10	cultivar	
11	isolate	
12	label	
13	biomaterial_provider	JCM
14	*collection_date	1999
15	*env_biome	not applicable
16	*env_feature	not applicable
17	*env_material	not applicable
18	*geo_loc_name	Thailand
19	*lat_lon	missing
20	*project_name	Genome analysis project of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T
21	*isol_growth_condt	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
22	*ref_biomaterial	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
23	*num_replicons	missing
24	estimated_size	
25	biotic_relationship	
26	encoded_traits	
27	extrachrom_elements	
28	health_disease_stat	
29	host	fermented fish



W8-7: 値がない場合は

①

値がない場合の記載方法

INSDC ではサンプル属性値が存在しない場合の記載方法を標準化しています。登録者は常に定められた形式で属性値を提供することが推奨されますが、値がない (missing/null value) ことを報告する際には、状況をより細かく表す用語を使用することが求められます。適切な場合は "lower level" の用語を使用し、そうでない場合には "top level" の用語を使用します。

以下に "missing/null value" に対する用語と定義を記載しています。

必須属性に対する値がない場合にだけ標準化された用語を使用します。推奨・任意属性に対する値がない場合は、値を空にするか、属性そのものを使用しないでください。

INSDC missing value reporting terms

INSDC term (top level)	INSDC term (lower level)	Definition
not applicable		information is inappropriate to report, can indicate that the standard itself fails to model or represent the information appropriately
missing	not collected	information of an expected format was not given because it has not been collected
	not provided	information of an expected format was not given, a value may be given at the later stage
	restricted access	information exists but can not be released openly because of privacy concerns

In this page

- BioSample
- BioSample について
- メタデータ
- BioSample への登録
- サンプルの登録

PDF Download

PDF をダウンロード

Submit

- Login & Submit
- Contact

Archives

News by year: Latest ▾

FAQs

Handbooks

W8-8: それ以外

	A	B
1	*sample_name	Lactobacillus acidipiscis 10692T
2	*sample_title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)
3	description	Type strain of Lactobacillus acidipiscis originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in Thailand
4	*organism	Lactobacillus acidipiscis
5	*taxonomy_id	89059
6	bioproject_id	PRJDB5682
7	locus_tag_prefix	Lacidipiscis
8	strain	JCM 10692
9	breed	
10	cultivar	
11	isolate	
12	label	
13	biomaterial_provider	JCM
14	*collection_date	1999
15	*env_biome	not applicable
16	*env_feature	not applicable
17	*env_material	not applicable
18	*geo_loc_name	Thailand
19	*lat_lon	missing
20	*project_name	Genome analysis project of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T
21	*isol_growth_condt	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
22	*ref_biomaterial	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
23	*num_replicons	missing
24	estimated_size	
25	biotic_relationship	
26	encoded_traits	
27	extrachrom_elements	
28	health_disease_stat	
29	host	fermented fish

Tanasupawat et al. *Int J Syst Evol Microbiol.*, 2000

W8-9: JCM Catalogue

①JCM Catalogueを参考にして埋めていく。②JCM 10692が菌株保存機関における登録番号に相当する

JCM Catalogue ①

***Lactobacillus acidipiscis* Tanasupawat et al. 2000**

Taxonomy: [NCBI database](#): [Bacteria](#); [Firmicutes](#); [Bacilli](#); [Lactobacillales](#); [Lactobacillaceae](#). ②

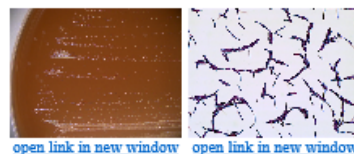
10692^T <- S. Tanasupawat FS60-1.
Accessioned in 1999.
=[CCUG](#) 46556 =[CIP](#) 106750 =[DSM](#) 15836 =[HSCC](#) 1411 =[NBRC](#) 102163 =[NRIC](#) 0300 =[PCU](#) 207 =[TISTR](#) 1386.
Type strain [[4758](#)].
Medium: [13](#); Temperature: 30°C; Rehydration fluid: [663](#).

Source: Fermented fish (Pla-ra), Thailand [[4758](#)].
Biochemistry/Physiology: [[4758](#)].
Cell wall: L-Lys-D-Asp [[4758](#)].
Fatty acid: [[4758](#)].
G+C (mol%): 38.7 (HPLC) [[4758](#)].
DNA-DNA relatedness: [[4758](#)].
Phylogeny: 16S rRNA gene ([AB023836](#), [LC145575](#)) [[4758](#)].
NCBI Taxonomy ID: [89059](#).

Delivery category: [Domestic](#), A or C; [Overseas](#), A or C.

Viability and purity assays of this product were performed at the time of production as part of quality control. The authenticity of the culture was confirmed by analyzing an appropriate gene sequence, e.g., the 16S rRNA gene for prokaryotes, the D1/D2 region of LSU rRNA gene, the ITS region of the nuclear rRNA operon, etc. for eukaryotes. The characteristics and/or functions of the strain appearing in the catalogue are based on information from the corresponding literature and JCM does not guarantee them.

● [Instructions for an order](#)
● [Go to JCM Top Page](#)



[open link in new window](#) [open link in new window](#)

W8-10: アップロード

W8-3と同じ画面です。①参照で一通り入力を終えた②タブ区切りテキストファイル(MIGS.ba.miscellaneous_after.txt)を選択して、③開く

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_detail?submission_id Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Describe your sample(s) by providing sample attributes.
For more information, please see the sample attribute page ([English](#), [Japanese](#))

Attributes

*Attributes file : 参照... ①

[Download a template text file for BioSample attributes](#)

Download and edit the template text file in spreadsheet or text editor.

- You can submit multiple samples described in lines.
サンプルを複数行に記載し、まとめて登録することができます。
- If you do not have information for the required attribute(s), please provide the value 'missing'.
必須属性に対する値がない場合は、'not collected', 'not applicable' もしくは 'missing' を記述してください。
- Provide '[organism](#)' and '[taxonomy id](#)' as registered in [NCBI Taxonomy \(for unregistered\)](#).
[NCBI Taxonomy](#)に登録されている生物を、'[organism](#)' と '[taxonomy id](#)' に記入してください。

Continue

アップロードするファイルの選択

PC > デスクトップ

名前	更新日時	種類
hoge	2017/04/12 15:41	ファイル フォルダ
MIGS.ba.miscellaneous_after.txt	2017/04/17 15:04	テキストドキュメント

ファイル名(N): MIGS.ba.miscellaneous_after.txt 開く(O) キャンセル ③

W8-10: アップロード

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_detail?submission_id Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW

Describe your sample(s) by providing sample attributes.
For more information, please see the sample attribute page ([English](#), [Japanese](#))

Attributes

*Attributes file : C:\Users\kojik\Desktop\MIGS.ba.miscell 参照...

[Download a template text file for BioSample attributes](#)

Download and edit the template text file in spreadsheet or text editor.

- You can submit multiple samples described in lines.
サンプルを複数行に記載し、まとめて登録することができます。
- If you do not have information for the required attribute(s), please provide the value as either 'not collected', 'not applicable' or 'missing'.
必須属性に対する値がない場合は、'not collected', 'not applicable' もしくは 'missing' を記入してください。
- Provide '[organism](#)' and '[taxonomy id](#)' as registered in [NCBI Taxonomy \(for unregistered organism\)](#)
[NCBI Taxonomy](#)に登録されている生物を、'[organism](#)' と '[taxonomy id](#)' に記入してください ([未登録の生物の場合](#))

Continue ①

W8-10: アップロード

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_attribute. The page header includes the DDBJ logo and navigation links for D-way TOP, BioProject, BioSample, Account, Password, and Logout. The main heading is "BioSample Submission ID: SSUB007729". Below this are several tabs: SUBMITTER, GENERAL INFO, SAMPLE TYPE, ATTRIBUTES (selected), PUBLICATION, and OVERVIEW. The ATTRIBUTES tab contains the instruction: "Describe your sample(s) by providing sample attributes. For more information, please see the sample attribute page ([English](#), [Japanese](#))". Underneath, there is a section titled "Attributes" with a list containing "MIGS.ba.miscellaneous_after.txt" and a "Delete" button. At the bottom left of the form area, there is a "Continue" button, which is highlighted by a red arrow pointing to it with the number "1" inside a red circle.

W8-11: PUBLICATION

The screenshot shows a web browser window with the URL https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_attribute. The page title is "BioSample Submission ID: SSUB007729". The navigation menu includes "SUBMITTER", "GENERAL INFO", "SAMPLE TYPE", "ATTRIBUTES", "PUBLICATION", and "OVERVIEW". The "PUBLICATION" tab is active, showing a form with "PubMed ID" and "OR DOI" input fields, and a link to "Add another publication". A "Continue" button is located at the bottom left of the form, with a red arrow pointing to it and a circled "1" next to it.

Submission: SSUB007729

[DDBJ](#) [D-way TOP](#) | [BioProject](#) | [BioSample](#) | [Account](#) | [Password](#) | [Logout](#)

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES **PUBLICATION** OVERVIEW

Publication

PubMed ID : OR DOI :

[Add another publication](#)

Continue ①

W8-12: OVERVIEW

① ページ下部まで全体を眺めて最終確認

Browser address bar: https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_overview_form?submission_id=S Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logou

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION OVERVIEW


SUBMITTER

Submitter 1	
First name	Koji
Last name	Kadota
E-mail	kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

Submitter 2	
First name	Yasuhiro
Last name	Tanizawa
E-mail	

Submitter 3	
First name	Masanori
Last name	Tohno
E-mail	

Organization	
Submitting organization	Institute of Livestock and Grassland Science, National Agriculture and Food Research Organization
Submitting organization URL	http://www.naro.affrc.go.jp



W8-13: Submit

ページ下部まで眺めたところ。
問題なければ①Submit、②OK

Browser address bar: https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_overview_form?submission_id=S Submission: SSUB007729

GENERAL INFO

Data Release	
Data Release	Hold
External Links 1	
Link description	JCM Catalogue for Lactobacillus acidipiscis
URL	http://www.jcm.riken.jp/cgi-bin/jcm/jcm_number?JCM=10692
Private comments to DDBJ staff	
Comments	

SAMPLE TYPE

Core Package	MIxS Sample
MIxS Sample	Cultured Bacterial/Archaeal
MIxS Sample	miscellaneous

ATTRIBUTES

Attributes	
TSV file	SSUB007729.txt

PUBLICATION

Publication 1	
PubMed ID	
DOI	

Submit **①**

Web ページからのメッセージ

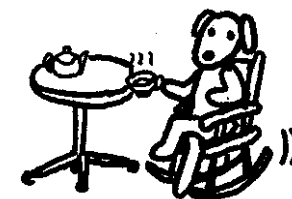
? Submit your sample?

②

OK キャンセル

W8-14: Submitted

①Submittedになっています。問題があればDDBJアナテーターから指摘があります。返事がくるまで思考停止



Browser address bar: https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_list

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample submission list for a

New submission

To update an existing record or recent submission, please send your request with your Submission ID or BioSample accession included ([English](#), [Japanese](#)).

BioSample Submission ID	Status	Created Date	Updated Date
SSUB007729	Submitted	2017-04-13	2017-04-17

A red arrow with the number 1 points to the 'Submitted' status in the table.

W9-1 : Accession番号キタ

①BioSampleアクセッション番号はSAMDD00078754。このときは確か、火曜日の午前にSubmitボタンを押して、木曜日の午前にメールがきました

Dear Koji Kadota, Masanori Tohno and Yasuhiro Tanizawa,

Thank you for your submission to the DDBJ BioSample.

The BioSample(s) has been successfully registered in the DDBJ BioSample database.

** Summary of registered BioSample(s) is listed below. **

SSUB ID	BioSample Accession	Sample Name
		Organism name Hold/Release
SSUB007729	SAMD00078754	Lactobacillus acidipiscis 10692T
Lactobacillus acidipiscis	Hold	



[SSUB007729] # Attributes were edited as follows.

[SSUB007729] # Attributes were edited as follows.

Following attributes were added:

"isolation_source"
fermented fish (Pla-ra)

"type_strain"
Yes

Following attributes were deleted:

"host"
fermented fish

W9-2: Attributesのところ

DDBJアナテーターによって、イチイチ指示されることなく編集していただいたようです。この場合は、①2項目が追加され、②1項目が削除されたようです

Dear Koji Kadota, Masanori Tohno and Yasuhiro Tanizawa,

Thank you for your submission to the DDBJ BioSample.

The BioSample(s) has been successfully registered in the DDBJ BioSample database.

** Summary of registered BioSample(s) is listed below. **

SSUB ID	BioSample Accession	Sample Name
Organism name	Hold/Release	
SSUB007729	SAMD00078754	Lactobacillus acidipiscis 10692T
Lactobacillus acidipiscis	Hold	

[SSUB007729] # Attributes were edited as follows.

[SSUB007729] # Attributes were edited as follows.

Following attributes were added:

"isolation_source"
fermented fish (Pla-ra)



"type_strain"
Yes

Following attributes were deleted:

"host"
fermented fish



W9-3: StatusがHoldに

①Statusのところをクリック
②SSUB007729をクリック

https://trace.ddbj.nig.ac.jp/D-way/contents/bs/bs_submission_list

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample submission list for a

New submission

To update an existing record or recent submission, please send your request with your Submission ID or BioSample accession included ([English](#), [Japanese](#)).

BioSample Submission ID	Status	Created Date	Updated Date
SSUB007729	Hold	2017-04-13	2017-04-17

W9-4: OVERVIEW

前回(W8-12)見た①OVERVIEWとは異なり、
②BioSample Accessionが表示されている

Submission: SSUB007729

DDBJ D-way TOP | BioProject | BioSample Account | Password | Logout

BioSample Submission ID: SSUB007729

SUBMITTER GENERAL INFO SAMPLE TYPE ATTRIBUTES PUBLICATION **OVERVIEW**

Sample Summary

Sample Name	Status	BioSample Accession	Published Date	Modified Date
Lactobacillus acidipiscis 10692T	Hold	SAMD00078754	-----	2017-04-20

SUBMITTER

Submitter 1

First name	Koji
Last name	Kadota
E-mail	kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp

Submitter 2

First name	Yasuhiro
Last name	Tanizawa
E-mail	

Submitter 3

First name	Masanori
Last name	Tohno
E-mail	

W9-5: SSUB007729.txt

- ① ページ下部に移動、
- ② SSUB007729.txt

Submitting organization URL <http://www.naro.affrc.go.jp>

GENERAL INFO

Data Release	
Data Release	Hold
External Links 1	
Link description	JCM Catalogue for Lactobacillus acidipiscis
URL	http://www.jcm.riken.jp/cgi-bin/jcm/jcm_number?JCM=10692
Private comments to DDBJ staff	
Comments	

SAMPLE TYPE

Core Package	MIxS Sample
MIxS Sample	Cultured Bacterial/Archaeal
MIxS Sample	miscellaneous

ATTRIBUTES

Attributes	
TSV file	SSUB007729.txt

PUBLICATION

Publication 1	
PubMed ID	
DOI	



W9-5: SSUB007729.txt

①SSUB007729.txtをEXCELで開いたところ。1行目がMIGS.ba.miscellaneous.txt (W8-4)と同じような感じですね

	A	B	C	D	E	F	G	H	
1	biosample	*sample_r	*sample_t	descriptio	*organism	*taxonomy	bioproject	locus_tag	stra
2	SAMD000	Lactobacil	Lactobacil	Type strai	Lactobacil	89059	PRJDB568	Lacidipisc	JCM
3									

W9-5: SSUB007729.txt

SSUB007729.txtの行列を入れ替えて表示。①W8-8で記載していた"fermented fish"が削除されていることがわかる

	A	B
1	biosample_accession	SAMD00078754
2	*sample_name	Lactobacillus acidipiscis 10692T
3	*sample_title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692
4	description	Type strain of Lactobacillus acidipiscis
5	*organism	Lactobacillus acidipiscis
6	*taxonomy_id	89059
7	bioproject_id	PRJDB5682
8	locus_tag_prefix	Lacidipiscis
9	strain	JCM 10692
10	breed	
11	cultivar	
12	isolate	
13	label	
14	biomaterial_provider	JCM
15	*collection_date	1999
16	*env_biome	not applicable
17	*env_feature	not applicable
18	*env_material	not applicable
19	*geo_loc_name	Thailand
20	*lat_lon	missing
21	*project_name	Genome analysis project of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692
22	*isol_growth_condt	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/ijs.0.10551-01
23	*ref_biomaterial	http://ijs.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/ijs.0.10551-01
24	*num_replicons	missing
25	estimated_size	
26	biotic_relationship	
27	encoded_traits	
28	extrachrom_elements	
29	health_disease_stat	
30	host	
31	host_spec_range	
32	pathogenicity	
33	rel_to_oxygen	
34	samp_collect_device	
35	samp_mat_process	
36	sample_size	
37	source_material_id	JCM 10692
38	subspecf_gen_lin	
39	trophic_level	
40	depth	



①

W9-5: SSUB007729.txt

①これがDDBJアノテーターによって追加されたものですね

	A	B
41	elev	
42	altitude	
43	alkalinity	
44	ammonium	
45	biomass	
46	bromide	
47	calcium	
48	chem_administration	
49	chloride	
50	chlorophyll	
51	current	
52	density	
53	diether_lipids	
54	diss_carb_dioxide	
55	diss_hydrogen	
56	diss_inorg_carb	
57	diss_org_nitro	
58	diss_oxygen	
59	misc_param	
60	nitrate	

	A	B
61	nitrite	
62	nitro	
63	org_carb	
64	org_matter	
65	org_nitro	
66	organism_count	
67	oxy_stat_samp	
68	perturbation	
69	ph	
70	phosphate	
71	phosplipid_fatt_acid	
72	potassium	
73	pressure	
74	salinity	
75	samp_store_dur	
76	samp_store_loc	
77	samp_store_temp	
78	silicate	
79	sodium	
80	sulfate	
81	sulfide	
82	temp	
83	isolation_source	fermented fish (Pla-ra)
84	type_strain	Yes



W10-1 : MSS

[HOME](#) > [データ登録](#) > [塩基配列の登録](#) > MSS とは? - Mass Submission System
 最終更新日 : 2016.4.18.

MSS とは? - Mass Submission System

初めに、[登録データ種別](#)をご確認ください。シーケンサからの出力自体を登録する場合は、[DRA; DDBJ Sequence Read Archive](#)、または、[DTA; DDBJ Trace Archive](#) に関しましてもご参照ください。

DDBJでは、登録予定データが以下のような条件に該当する場合、Mass Submission System (MSS) のご利用をお勧めしております。

- ・ エントリ数(登録する配列の数)が多い場合
1024 を超えると[塩基配列登録システム](#)では分割が必要です
- ・ 1 エントリあたりに多数(概ね30以上)のFeature がある場合
- ・ 配列が長い (目安は 500 kb 以上) 場合
- ・ [塩基配列登録システム](#)が対応していない登録
[EST](#), [STS](#), [TSA](#), [HTC](#), [GSS](#), [HTG](#), [WGS](#), [CON](#)など

[塩基配列登録システム](#)は、塩基配列登録に必要な項目を対話型入力する必要があります。記載する内容がそれほど多くない場合には簡便な登録作業が可能であり、有効なツールです。しかしながら、大規模ESTの登録などの場合には、**①** 型入力よりも、登録のためのファイルを、直接、転送する方法が適しています。

そのような大規模登録のための枠組みがMSSです。

- ・ [MSS をご利用の前に](#)
- ・ [MSSにおける作業の流れ](#)
- ・ [登録のために必要なファイル](#)
- ・ [ファイル転送](#)

W10-1 : MSS

①ちょっとページ下部に移動。MSS利用希望なので、②MSS申し込みフォームをクリック

塩基配列登録システムは、塩基配列登録に必要な項目を対話型入力する必要があります。
記載する内容がそれほど多くない場合には簡単に登録作業が可能であり、有効なツールです。
しかしながら、大規模ESTの登録などの場合には、対話型入力よりも、登録のためのファイルを、直接、転送する方法が適しています。

そのような大規模登録のための枠組みがMSSです。

- ・ [MSS をご利用の前に](#)
- ・ [登録のために必要なファイル](#)
- ・ [MSSにおける作業の流れ](#)
- ・ [ファイル転送](#)

MSS をご利用の前に

MSSの利用をご希望の場合は、[MSS申し込みフォーム](#)からご連絡ください。
より詳細な手順、および、作業を支援するソフトウェアをご紹介します。

登録のために必要なファイル

MSSでは、基本的には、以下の2つのファイルをご用意いただきます。

- ▶ [配列ファイル](#)
全登録データの配列をFASTA形式で記述したテキストファイル
- ▶ [アノテーションファイル](#)
全登録データの登録者、REFERENCE、Feature/Qualifierの情報等を記述したタブ区切りテキストファイル

▶ [PAGE TOP](#)

・ アノテーションファイルと配列ファイルは、登録者側で作成していただくことを前提にしております。
登録のためのファイルは、テキストファイルですので、スクリプト、(MS Excel などの) 表計算ソフト、テキストエディタ等で作成が

W10-2: 申し込みフォーム

①16S ribosomal RNAではないがassembleした、のでMSS利用でいいのだろう

HOME > データ登録 > 塩基配列の登録 > MSS 利用申し込み

MSS 利用申し込み

MSS 利用をご希望の場合には、以下のフォームからお申し込みください。追って詳細な手順をメールでご案内いたします。
送信後、5日（土、日、祭日を除く）を過ぎても DDBJ から連絡がない場合は、お手数ですが、mass@ddbj.nig.ac.jp までご連絡ください。

***注意**
次世代シーケンサー（NGS）から得られた reads をアセンブルしていない配列の場合は、MSS ではなく、[DDBJ Sequence Read Archive](#) へ登録してください。

例:

NGS で配列決定された16S ribosomal RNA、assemble していない	-->	DRA
NGS で配列決定された 16S ribosomal RNA、assemble した	-->	MSS
Sanger 法で配列決定された 16S ribosomal RNA	-->	MSS

*は入力必須項目です。

1. 以前に MSS を利用されたことがありますか？

W10-2: 申し込みフォーム

①ちょっとページ下部に移動。②以前にMSS利用経験はないので、いいえ。それ以外の項目も埋めていく

← → http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/masssub-j.html MSS 利用申し込み | DDBJ ×

1. 以前に MSS を利用されたことがありますか？

* はい いいえ

2. **コンタクトパーソン**

* 氏名(英語) 姓 名 ミドルネーム

* E-mail address

* FAX number +81-

* 所属 (英語)
例) DNA Data Bank of Japan, National Institute of Genetics

URL

3. 登録担当者 (コンタクトパーソン以外の方が登録手続きを行う場合、ご入力下さい)

氏名(英語) 姓 名 ミドルネーム

E-mail address

FAX number

所属 (英語)

URL

[PAGE TOP](#)

4. 登録データの概略

このデータは論文投稿の予定がないので、①登録完了後即日公開

W10-3: 登録データの概略

4. 登録データの概略

* 公開予定

① 登録完了後即日公開

期日まで非公開 年 月 日

» 年末年始(12/29~1/3)は指定しないでください。

» 3年以内に設定していただくことお勧めします。

* 件数

件

* Sequencing Technology (複数選択可)

Sanger (gel/capillary)

454

Illumina

PacBio

その他

» 次世代シーケンサをご利用の方は、アセンブル前の sequence reads を [DDBJ Sequence Read Archive \(DRA\)](#) へ登録することをお勧めします。

* データ種別

下記のいずれにも該当しない

EST full length cDNA (HTC) TSA*1

GSS complete genome*2 draft genome*2 (WGS or HTG)

[PAGE TOP](#)

W10-3: 登録データの概略

①件数は1件。②生データはIllumina MiSeqデータ。③アセンブリ結果はdraft genome

4. 登録データの概略

* 公開予定

登録完了後即日公開

期日まで非公開 年 月 日

» 年末年始(12/29~1/3)は指定しないでください。

» 3年以内に設定していただくことお勧めします。

* 件数

① 件

* Sequencing Technology (複数選択可)

Sanger (gel/capillary)

454

② Illumina

PacBio

その他

» 次世代シーケンサをご利用の方は、アセンブル前の sequence reads を DDBJ Sequence Read Archive (DRA) へ登録することをお勧めします。

* データ種別

下記のいずれにも該当しない

EST full length cDNA (HTC) TSA*1

GSS complete genome*2 draft genome*2 (WGS or HTG)

[PAGE TOP](#)

③

W10-3: 登録データの種別

①BioProject ID ("PRJDB5682")とBioSample ID ("SAMD00078754")は取得済み。②locus tag prefix ("Lacidipiscis")も取得済み

http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/masssub-j.html
DDBJ Sequence Read Archive (DRA)へ登録することをお勧めします。

*** データ種別**

下記のいずれにも該当しない

EST full length cDNA (HTC) TSA*1

GSS complete genome*2 draft genome*2 (WGS or HTG)

***1, *2 を登録する場合は、MSS での登録に先立ち、以下の順序で手続きを行ってください。**

BioProject Database で、BioProject ID を取得してください。 } ①
配列の由来 (リソース) 情報を BioSample Database に登録し、BioSample ID を取得して下さい。

***2 に該当する場合は、以下の手続きも併せて行ってください。** ②

feature annotation を伴うゲノム配列の場合は、locus tag prefix を取得しておく必要があります。
locus_tag prefix は BioProject Database に登録する際に取得します。
ただし、ゲノム全長相当であっても、virus、phage、organelle、あるいは、plasmid のみのような比較的小規模な配列の場合、BioProject ID および locus_tag prefix を取得する必要はありません。

*** 生物学的概要(日本語可)**

例: Bacillus 属 16S rRNA gene の配列, 1000 bp~1500 bp

[PAGE TOP](#)

①生物学的概要のところは、
とりあえず②のようにしました

W10-3: 登録データの概略

The screenshot shows a web browser window with the URL <http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/masssub-j.html>. The page title is "DDBJ Sequence Read Archive (DRA) へ登録することをお勧めします。". The main content area is titled "* データ種別" and contains several radio button options: "下記のいずれにも該当しない", "EST", "full length cDNA (HTC)", "TSA*1", "GSS", "complete genome*2", and "draft genome*2 (WGS or HTG)". The "draft genome*2 (WGS or HTG)" option is selected. Below this, there are two orange callout boxes. The first box explains that *1 and *2 require registration in MSS, with instructions to obtain BioProject ID from the BioProject Database and BioSample ID from the BioSample Database. The second box explains that *2 also requires feature annotation, with instructions to obtain locus tag prefix from the BioProject Database. At the bottom, there is a section titled "* 生物学的概要(日本語可)" with an example: "Bacillus 属 16S rRNA gene の配列, 1000 bp~1500 bp". A text input field contains the example text: "Lactobacillus acidipiscis 10692Tのドラフトゲノム配列, 2.6Mbp". A red arrow labeled "1" points to the "draft genome*2" option, and another red arrow labeled "2" points to the text input field. A "PAGE TOP" button is visible in the bottom right corner.

http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/masssub-j.html
DDBJ Sequence Read Archive (DRA) へ登録することをお勧めします。

* データ種別

下記のいずれにも該当しない

EST full length cDNA (HTC) TSA*1

GSS complete genome*2 draft genome*2 (WGS or HTG)

*1, *2 を登録する場合は、MSS での登録に先立ち、以下の順序で手続きを行ってください。

[BioProject Database](#) で、BioProject ID を取得してください。
配列の由来 (リソース) 情報を [BioSample Database](#) に登録し、BioSample ID を取得して下さい。

*2 に該当する場合は、以下の手続きも併せて行ってください。

feature annotation を伴うゲノム配列の場合は、locus tag prefix を取得しておく必要があります。
locus_tag prefix は [BioProject Database](#) に登録する際に取得します。

ただし、ゲノム全長相当であっても、virus、phage、organelle、あるいは、plasmid のみのような比較的小規模な配列の場合、BioProject ID および locus_tag prefix を取得する必要はありません。

* 生物学的概要(日本語可)

例: Bacillus 属 16S rRNA gene の配列, 1000 bp~1500 bp

Lactobacillus acidipiscis 10692Tのドラフトゲノム配列, 2.6Mbp

PAGE TOP

W10-4: 入力内容の確認

feature annotation を伴うゲノム配列の場合は、locus tag prefix を取得しておく必要があります。
locus_tag prefix は [BioProject Database](#) に登録する際に取得します。
ただし、ゲノム全長相当であっても、virus、phage、organelle、あるいは、plasmid のみのような比較的小規模な配列の場合、BioProject ID および locus_tag prefix を取得する必要はありません。

* 生物学的概要(日本語可)
例: Bacillus 属 16S rRNA gene の配列, 1000 bp~1500 bp

Lactobacillus acidipiscis 10692Tのドラフトゲノム配列, 2.6Mbp

5. 補足情報 (日本語可)

入力内容の確認 入力内容のリセット

①

サイトマップ | サイトポリシー | DDBJ カレンダー | ブラウザについて |

DDBJ Home Page by DDBJ is licensed under a Creative Commons 表示 2.1 日本 License

PAGE TOP

え、どうして?!①FAX番号入力したはずなのに、と思いつつ、②入力画面へ戻る

W10-4: 入力内容の確認

The screenshot shows a web browser window with the URL http://www.ddbj.nig.ac.jp/cgi-bin/mass_register.cgi. The page title is "大量登録案内 入力値工...". The main content area has a yellow background and contains the following text:

以下の項目を確認してください

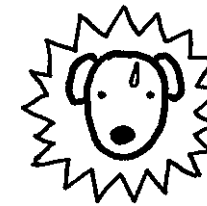
コンタクトパーソン情報:FAX number }
登録担当者:FAX number } ①
登録担当者情報記入漏れ

登録担当者情報は個々の項目みの入力できません

入力画面へ戻り再入力をお願いします

[入力画面へ戻る](#)

②



W10-4: 入力内容の確認

①もしかして、「+81」とせずに「0」から始まる日本国内のみで使う形式にするのかも…(+を除くだけでもたぶん大丈夫)



← → http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/masssub-j.html MSS 利用申し込み | DDBJ ×

1. 以前に MSS を利用されたことがありますか？

* はい いいえ

2. **コンタクトパーソン**

* 氏名(英語) 姓 名 ミドルネーム

* E-mail address

* FAX number

* 所属(英語) **①**

URL

3. **登録担当者 (コンタクトパーソン以外の方が登録手続きを行う場合、ご入力下さい)**

氏名(英語) 姓 名 ミドルネーム

E-mail address

FAX number

所属(英語) **①**

URL

[PAGE TOP](#)

4. **登録データの概略**

①のような感じにして、もう一度「入力内容の確認」

W10-4: 入力内容の確認

← → http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/masssub-j.html MSS 利用申し込み | DDBJ ×

1. 以前に MSS を利用されたことがありますか？

* はい いいえ

2. コンタクトパーソン

* 氏名(英語) 姓 名 ミドルネーム

* E-mail address

* FAX number

* 所属(英語) **①**

URL

3. 登録担当者 (コンタクトパーソン以外の方が登録手続きを行う場合、ご入力下さい)

氏名(英語) 姓 名 ミドルネーム

E-mail address

FAX number

所属(英語) **①**

URL



[PAGE TOP](#)

4. 登録データの概略

うまくいったが、なんかやり切れません(苦笑)。気を取り直して入力内容の確認

W10-5: 成功

大量登録案内 入力内容確認

以前に大量登録を利用されたことがありますか?	No
コンタクトパーソン情報:姓	Tohno
コンタクトパーソン情報:名	Masanori
コンタクトパーソン情報:ミドルネーム	
コンタクトパーソン情報:E-mail address	
コンタクトパーソン情報:FAX number	
コンタクトパーソン情報:所属	Institute of Livestock and Grassland Science, National Agriculture and Food Research Organization
コンタクトパーソン情報:URL	http://www.naro.affrc.go.jp/
登録担当者:姓	Kadota
登録担当者:名	Koji
登録担当者:ミドルネーム	
登録担当者:E-mail address	kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp
登録担当者:FAX number	03-5841-1136
登録担当者:所属	Graduate School of Agricultural and Life Sciences, The University of Tokyo
登録担当者:URL	http://www.iu.a.u-tokyo.ac.jp/
公開予定	登録完了後即日公開
件数	1
Sequencing Technology	Solexa
Sequencing Technology:その他	
データ種別	draft genome

W10-6: 入力内容の送信

http://www.ddbj.nig.ac.jp/cgi-bin/mass_register.cgi 大量登録案内 入力内...

コンタクトパーソン情報:ミドルネーム	
コンタクトパーソン情報:E-mail address	XXXXXXXXXX
コンタクトパーソン情報:FAX number	XXXXXXXXXX
コンタクトパーソン情報:所属	Institute of Livestock and Grassland Science, National Agriculture and Food Research Organization
コンタクトパーソン情報:URL	http://www.naro.affrc.go.jp/
登録担当者:姓	Kadota
登録担当者:名	Koji
登録担当者:ミドルネーム	
登録担当者:E-mail address	kadota@bi.a.u-tokyo.ac.jp
登録担当者:FAX number	03-5841-1136
登録担当者:所属	Graduate School of Agricultural and Life Sciences, The University of Tokyo
登録担当者:URL	http://www.iu.a.u-tokyo.ac.jp/
公開予定	登録完了後即日公開
件数	1
Sequencing Technology	Solexa
Sequencing Technology:その他	
データ種別	draft genome
生物学的概要	Lactobacillus acidipiscis 10692Tのドラフトゲノム配列, 2.6Mbp
補足情報	

以下の内容で送信します。①しければ下の送信ボタンを押してください

入力内容の送信 入力画面へ戻る

W10-6: 入力内容の送信



The screenshot shows a web browser window with the URL http://www.ddbj.nig.ac.jp/cgi-bin/mass_register.cgi. The page title is "大量登録案内申請 完了". The main content is a grey box with the following text:

大量登録案内の申請内容を受け付け致しました。
手順の詳細をメールにてご連絡致しますので
しばらくお待ちください。

A red lightning bolt icon with the number "1" inside is positioned to the right of the text. Below the grey box is a blue link labeled "DDBJ TOP".

W10-7: バクテリアはBCT

HOME > データ登録 > 塩基配列の登録 > 登録データ種別 最終更新日: 2017.3.30.

登録データ種別

登録された塩基配列データは、その種類と付帯情報を以下に示すデータ種別に区分して、提供されます。

- 実配列データ
 - シーケンサ出力データ
 - Annotated/Assembled データ
- 研究プロジェクト・サンプル
- 制限アクセス公開

実配列データ

- ▶ シーケンサ出力データ

DRA: DDBJ Sequence Read Archive
Roche 454 GS System, Illumina Genome Analyzer, Applied Biosystems SOLiD System などの次世代シーケンサからの出力データのためのデータベース。

DTA: DDBJ Trace Archive

W10-7: バクテリアはBCT

①「バクテリア」でページ内検索。②確かにBCTですね

The screenshot shows a web browser window with the URL http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/data_categories-j.html. The search bar contains the text "バクテリア" (Bacteria), which is highlighted with a red circle and the number "1". The page content includes a section titled "制限アクセス公開" (Restricted Access Public) with a sub-section "JGA: Japanese Genotype-phenotype Archive" and a description: "個人に由来する遺伝学的なデータと匿名化された表現型情報の登録。" (Registration of genetic data derived from individuals and anonymized phenotypic information). Below this is a section titled "Annotated/Assembled データの細かい区分" (Detailed Classification of Annotated/Assembled Data) with a sub-section "通常の登録" (Normal Registration). The text explains that completed genome sequences and general registration data belong here, and that source features and at least one biological feature are required for classification. A list of categories follows: HUM; ヒト (Human); PRI; 壺長類(ヒトを除く) (Ciliates, excluding humans); ROD; 齧歯類 (Rodents); MAM; 哺乳類(ヒト、壺長類、齧歯類を除く) (Mammals, excluding humans, ciliates, and rodents); VRT; 脊椎動物(ヒト、壺長類、齧歯類、哺乳類を除く) (Vertebrates, excluding humans, ciliates, rodents, and mammals); INV; 無脊椎動物 (Invertebrates); PLN; 植物・真菌類など (Plants, fungi, etc.); BCT; バクテリア (Bacteria), which is highlighted with a red circle and the number "2"; VRL; ウィルス (Viruses); PHG; ファージ (Phages). A "PAGE TOP" button is visible at the bottom right of the page.

W10-8: WGS

① 今回のデータが該当するDraft genomeの場合は、Whole Genome Shotgun (WGS) エントリとして取り扱われる

HOME > データ登録 >塩基配列の登録 > Whole Genome Shotgun (WGS) 配列データについて 最終更新日: 2016.1.19.

Whole Genome Shotgun (WGS) 配列データについて ①

現在、様々な生物においてホールゲノムショットガン配列決定法 (whole genome shotgun: ゲノム全体を物理的に断片化し、シークエンサで各断片の塩基配列を決定した後、コンピューター・プログラムを用いて整理、アセンブルして完成させる手法) を用いて全ゲノム配列を決定するゲノムプロジェクトが進められています。

DDBJ/EMBL-Bank/GenBank では、そのようなゲノムプロジェクトに由来する、整理が不十分な段階の大量の DNA 断片の配列を、WGS データとして受け付けています。

[INSDC standards for genome assembly submission](#)もご参照ください。

[公開されているWGSデータ](#)

WGSデータの登録は [Mass Submission System \(MSS\)](#) で受け付けております。

WGS データとして登録可能なデータ

原則、冗長な raw read sequences ではなく、ある程度 計算機処理を経た contigs (overlapping reads) の配列を受け付けます。冗長な raw read sequences を公表することが必要な場合は、DDBJ/EMBL-Bank/GenBank とは別枠のデータベースである [DDBJ Trace Archive \(DTA\)](#)、または、[DDBJ Sequence Read Archive \(DRA\)](#)をご利用ください。

- » 登録に先立ち、[BioProject Database](#) と [BioSample Database](#) への登録が必要です。
- » assembly 過程を表現する WGS の登録には2種類の方法があります。

W10-9: CONエントリ

ギャップを含んだドラフトゲノムの場合には2通りの登録方法があり、その1つがCONエントリ。①登録データ種別のページ内で

HOME > データ登録 >塩基配列の登録 > 登録データ種別 最終更新日: 2017.3.30.

登録データ種別 ①

登録された塩基配列データは、その種類と付帯情報を以下に示すデータ種別に区分して、提供されます。

実配列データ

- シーケンサ出力データ
- Annotated/Assembled データ

研究プロジェクト・サンプル

- 制限アクセス公開

実配列データ

▶ シーケンサ出力データ

DRA: DDBJ Sequence Read Archive
Roche 454 GS System, Illumina Genome Analyzer, Applied Biosystems SOLiD System などの次世代シーケンサからの出力データのためのデータベース。

DTA: DDBJ Trace Archive

W10-9: CONエントリ



HTG の unfinished の配列は段階に応じて以下の 3 phase に分類されます。

- » phase0 ; piece contig が構築される以前の配列
- » phase1 ; 構築された piece contig の向きや順序が未確定の配列
- » phase2 ; piece contig の向きや順序が確定した unfinished の配列

▶ CON: Contig / Constructed 配列のタイリング

HTG、または、WGS などを基本としたゲノムプロジェクトでは、個々に登録された一連の配列データを相互に結合し、ゲノム構造を再構築するための情報が必要になります。そのようなタイリング情報に対して、1つのアクセッション番号を割り当てて特殊なエントリとして登録を受け付けています。このようなエントリを **CON エントリ** と呼び、CON division に格納します。

[Genome Project の各段階と登録データの種別](#) もご参照ください。

CON エントリ のみの登録は受け付けておりません。

まず、**CON エントリ** を構成する個々のピースエントリを登録していただきます。その上で **CON エントリ** を構築します。

CON エントリ の登録には **AGP ファイル** が必要です。

▶ WGS: ゲノムアセンブル途上の概要配列

DDBJ/EMBL-Bank/GenBank では、ホールゲノムショットガン配列決定法を用いて全ゲノム配列を決定するゲノムプロジェクトに由来する整理が不十分な段階の大量の DNA 断片の配列データを、**WGS データ** として受け付けています。

WGS データは他のデータと **アクセッション番号の書式** が異なります。

[Genome Project の各段階と登録データの種別](#) もご参照ください。

▶ TSA: Transcriptome Shotgun Assembly

[PAGE TOP](#)

W11-1: DDBJからのメール

(このときは30分足らずで)DDBJからメールが来ました。本文が長いので4分割して表示。その1

National Agriculture and Food Research Organization Dear Dr. Masanori Tohno, The University of Tokyo Dear Dr. Koji Kadota,

Mass Submission System (MSS) ご利用のお申し込みをいただきましてありがとうございます。

登録件数が多い場合、Feature が多数の場合 (概ね 30 以上)、配列が長大な場合、"塩基配列登録システム"よりも、MSS のご利用を推奨しております。

また、配列長が 500,000 bp を超える場合は、MSS をご利用ください。

本メールを受信後、"塩基配列登録システム"を使用して登録を完了された場合や、何らかの理由で登録自体をキャンセルされる場合は、

MSS 利用のキャンセルを DDBJ mass@ddbj.nig.ac.jp までご連絡ください。

また、実際に登録作業を開始される時期が 3 ヶ月以上後になる場合は、DDBJ

mass@ddbj.nig.ac.jpまでご連絡ください。

申し込みより

3 ヶ月以上経過後、何もご連絡がない場合は、予告なくキャンセルとして処理させていただきます。

W11-1: DDBJからのメール

(このときは30分足らずで)DDBJからメールが来ました。本文が長いので4分割して表示。その2

Mass Submission System (MSS)

利用の手順に関しましては、下記をご参照ください。

MSS 関連資料、および、ツールダウンロード

URL: <http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mss/massSub-j.html>

MSS 用データファイル作成

URL: http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mss/make_files-j.html

登録ファイルに書式エラーが無い場合は、査定後、すぐに登録作業に入り、アクセッション番号が発行されます。

登録を円滑に進めるためにも、Parser ツールによるご登録者側でのエラーチェックをお願いいたします。

なお、登録後即時公開が可能なデータにつきましては、アノテーションファイルには記載せずその旨をメールで別途ご連絡下さい。

W11-1: DDBJからのメール

(このときは30分足らずで)DDBJからメールが来ました。本文が長いので4分割して表示。その3

<MSS 利用手順の概略>

通常ご用意いただくファイルは以下の2種類です。

- ・配列ファイル: 登録する塩基配列を Fasta 形式にまとめたテキストファイル
- ・アノテーションファイル: 登録者、投稿論文、生物学的情報、を記載したタブ区切りテキストファイル

下記 URL から、サンプルアノテーション(PDF 文書)をご参照ください。

<http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mss/sample-j.html>

タブ区切りテキスト形式で提供しておりますので、これをひな型にしてアノテーションファイルを作成することも可能です。

次に、作業の流れにつきまして説明いたします。

詳細は下記のドキュメントをご参照ください。

MSS 用データファイル作成

URL: http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mss/make_files-j.html

- 1) 上記の手引き、“配列ファイル作成概説”を参照し、配列ファイルを作成。
- 2) 同上、“アノテーションファイル作成概説”を参照し、アノテーションファイルを作成。

W11-1: DDBJからのメール

(このときは30分足らずで)DDBJからメールが来ました。本文が長いので4分割して表示。その4

3) 形式の確認のため、データの一部(数entry分程度)が入力できた段階で、1)と2)のファイルをDDBJ

<mass@ddbj.nig.ac.jp>宛に送付して下さい(仮登録)。

送付前には、Parserツールを用いてチェックを行い、エラーを修正して下さい。
Parserツールは下記から取得して下さい。

MSS 関連資料、および、ツールダウンロード

URL: <http://www.ddbj.nig.ac.jp/sub/mss/massSub-j.html>

仮登録ファイルの確認がおわりましたら、DDBJよりご連絡をさしあげます。

4) 3)の修正に従って全エントリーのファイルを作成し、1)と2)のファイルをDDBJ <mass@ddbj.nig.ac.jp>宛に送付して下さい(本登録)。

ここでも、送付前にParserツールによるチェックを行って下さい。
ファイルの内容を確認の後、アクセッション番号発行作業が行われ、Contact personの連絡先としてご記入いただいたアドレス宛に、アクセッション番号のお知らせが届きます。

以上が、MSSを利用した塩基配列登録の流れです。

W11-2: DDBJ Submission

Remember the [current URL](#) to access this page. The result will be deleted 30 days after your last visit.

Title : [Delete this job now.](#) => This procedure cannot be undone.

JobID : 005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f

Status : COMPLETE

[2017-03-24 09:41:25.327270] Job submitted.
 [2017-03-24 09:41:25.342269] Job started.
 [2017-03-24 09:45:48.287690] Job completed.

①

Result Features **DDBJ Submission** Log

Genome Statistics

Total Length (bp)	2,594,548
No. of Sequences	327
GC Content (%)	39.3%
N50	17,928
Gap Ratio (%)	0.494306%
No. of CDSs	2,395
No. of rRNA	6
No. of tRNA	62
No. of CRISPRS	3
Coding Ratio (%)	77.1%

Download Files

- Genbank Flat File : [annotation.gbk](#)
- GFF3-formatted File : [annotation.gff](#)
- Genome Fasta File : [genome.fna](#)
- Protein Fasta File : [protein.faa](#)
- CDS Fasta File : [cds.fna](#)
- RNA Fasta File : [rna.fna](#)
- Feature Table : [features.tsv](#)
- Genome Statistics : [statistics.txt](#)
- Zip Archive : [annotation.zip](#)

Genome Assessment

ANI Result : [Download](#) CheckM Result : [Download](#)

[ANI TopHit](#) Lactobacillus acidipiscis DSM 15836

W11-2: DDBJ Submission

①のあたりはW2、W5、W7でやった。
第9回のW9-3あたりでも説明済み

The screenshot shows a web browser window with the URL <http://dfast.nig.ac.jp/analysis/annotation/005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f/sut>. The page title is "DFAST: DDBJ Fast Ann...". The navigation bar includes "DFAST", "Analysis", "Archive", "Download", and "Help".

Remember the **current URL** to access this page. The result will be deleted 30 days after your last visit.

Title : [Redacted]
JobID : 005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f
Status : COMPLETE

[Delete this job now.](#) => This procedure cannot be undone.

[2017-03-24 09:41:25.327270] Job submitted.
[2017-03-24 09:41:25.342269] Job started.
[2017-03-24 09:45:48.287690] Job completed.

[Result](#) [Features](#) [DDBJ Submission](#) [Log](#)

1. Preparation for Submit.

You can create DDBJ Submission Files (sequence file and annotation file) required to submit the genome through DDBJ Mass Submission System (MSS). If you want to submit a complete genome, you must provide a sequence name for each entry at [this page](#).

Before submission, you need to register BioProject and BioSample. Please follow the instruction below. For detailed information, please refer to [DDBJ Handbooks](#). If necessary, raw sequence data should be deposited in SRA.

1. Create a DDBJ submission account
Open the submission portal page [D-way](#), and create a new one.

2. Registration to the BioProject Database
Log-in at [D-way](#), and create a new BioProject.

3. Registration to BioSample Database
Log-in at [D-way](#), and create a new BioSample.

このページでは DDBJ Mass Submission System (MSS) を用いて塩基配列を登録するために必要な 2 種類のファイル (配列ファイルとアノテーションファイル) を作成できます。コンブリートゲノムを DDBJ に登録する場合には [こちらのページ](#) で配列名・配列種別 (染色体/プラスミド)・直鎖/環状の指定を行ってください。

登録に先立ち、BioProject Database と BioSample Database への登録を次の手順に従って行います。詳細な手順は [DDBJ Handbooks](#) を参照してください。必要に応じてシークエンスデータの SRA への登録も行います。

1. DDBJ登録アカウントの取得
登録ポータル [D-way](#) でアカウント申請を行います。

2. BioProject Database への登録
[D-way](#) にログインし、新規 BioProject を登録します。

3. BioSample Database への登録
[D-way](#) にログインし、新規 BioSample を登録します。

- ①「2. Input Metadata」の
- ②Show Formをクリック

W11-3: Input Metadata

DFAST is not an official service of DDBJ. Please check the latest information at the [MSS guideline](#).
てください。(DFAST は DDBJ の公式サービスではありません。)

2. Input Metadata

Input metadata by filling the form to create the submission file. Please refer to the [instruction](#) for more information for each item.
登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力します。入力項目の詳細な説明や作成例については [アノテーションファイル作成概説](#) を参照してください。
If you want to add items not shown in the form, you can add them manually after downloading the annotation file.
フォームにない項目はファイルダウンロード後に手動で修正を行ってください。メタデータを入力せずに空欄のままファイルを作成し、ダウンロード後に手動で入力することも可能です。

You can "Preview" the provided metadata. You can also import metadata from another DFAST job by providing the job ID in the text box below. By default, organism specific data, such as a species name or a strain name, are not imported. To enable this, check the "Override organism specific data".
メタデータ入力後 "Preview" ボタンで確認ができます。また、ジョブ ID を入力して他のジョブからメタデータをコピーすることができます。デフォルトでは生物種名や菌株名などのデータはコピーされませんが、"Override organism specific data" を有効にした場合、これらのデータも上書きされます。

▼ Show Form **2** Preview Enter Job ID to import another job's metadata.

Override organism specific data.

3. Download Submission Files

You can download the sequence file and the annotation file. You can also check the file format and translated amino acid sequence using [Parser](#) and [transChecker](#) (© DDBJ).
作成したファイルをダウンロードできます。Parser および transChecker (© DDBJ) を使用してファイル書式およびアミノ酸翻訳配列のチェックを行うことができます。
If you have edited the annotation and metadata, files are automatically updated.
アノテーションやメタデータを編集した場合、変更内容は自動的に反映されます。

W11-3: Input Metadata

DFAST is not an official service of DDBJ. Please check the latest information at the [MSS guideline](#).
 てください。(DFAST は DDBJ の公式サービスではありません。)

2. Input Metadata

Input metadata by filling the form to create the submission file. Please refer to the [instruction](#) for more information for each item.
 If you want to add items not shown in the form, you can add them manually after downloading the annotation file.

You can "Preview" the provided metadata. You can also import metadata from another DFAST job by providing the job ID in the text box below. By default, organism specific data, such as a species name or a strain name, are not imported. To enable this, check the "Override organism specific data".

登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力します。入力項目の詳細な説明や作成例については [アノテーションファイル作成概説](#) を参照してください。
 フォームにない項目はファイルダウンロード後に手動で修正を行ってください。メタデータを入力せずに空欄のままファイルを作成し、ダウンロード後に手動で入力することも可能です。

メタデータ入力後 "Preview" ボタンで確認ができます。また、ジョブ ID を入力して他のジョブからメタデータをコピーすることができます。デフォルトでは生物種名や菌株名などのデータはコピーされませんが、"Override organism specific data" を有効にした場合、これらのデータも上書きされます。

▲ Hide Form

Preview Enter Job ID to import another job's metadata. 📄

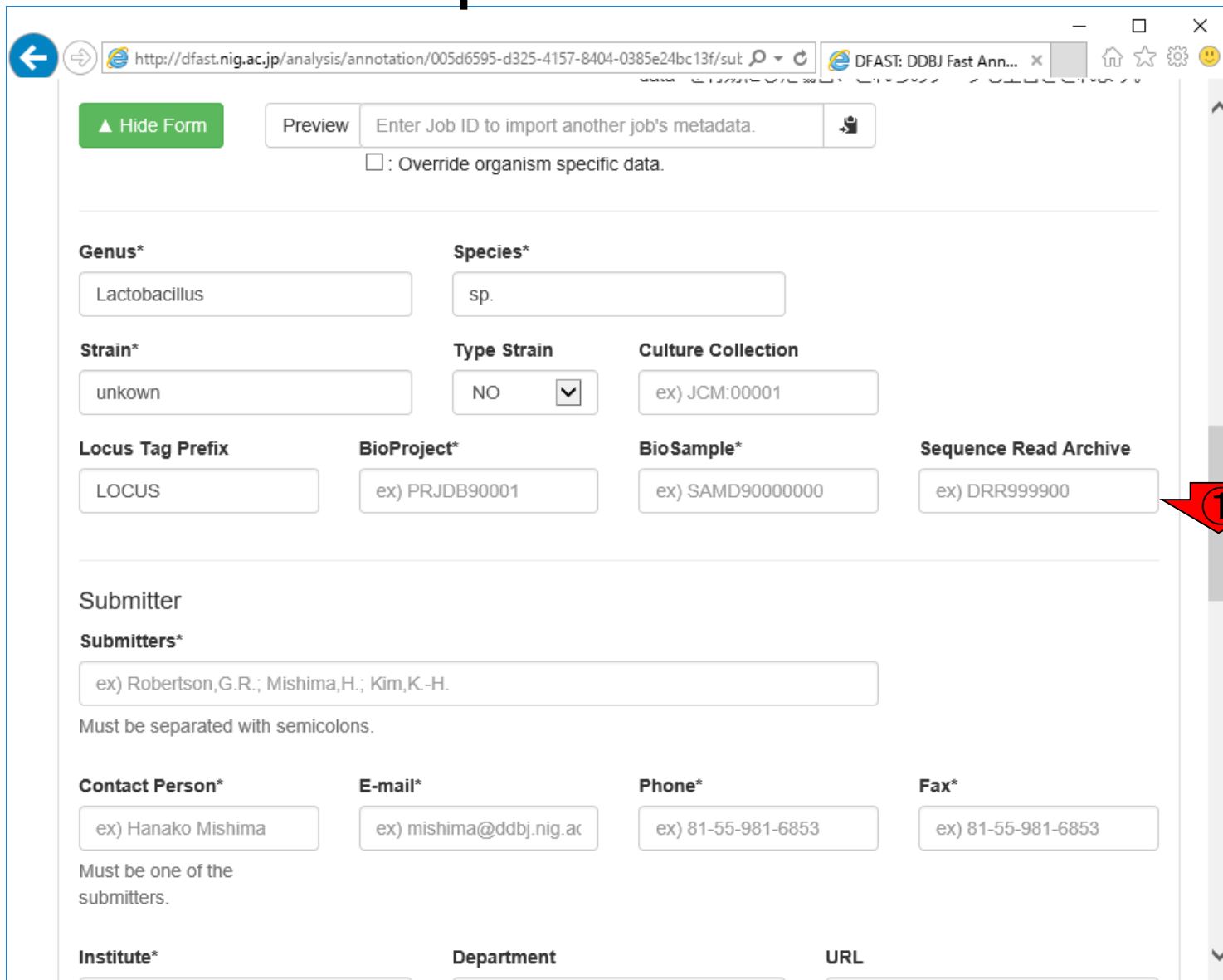
: Override organism specific data.

Genus* Lactobacillus **Species*** sp.

Strain* unknwn **Type Strain** NO **Culture Collection** ex) JCM:00001

Locus Tag Prefix **BioProject*** **BioSample*** **Sequence Read Archive**

W11-3: Input Metadata



Hide Form Preview Enter Job ID to import another job's metadata. : Override organism specific data.

Genus* Lactobacillus **Species*** sp.

Strain* unknwn **Type Strain** NO **Culture Collection** ex) JCM:00001

Locus Tag Prefix LOCUS **BioProject*** ex) PRJDB90001 **BioSample*** ex) SAMD90000000 **Sequence Read Archive** ex) DRR999900

Submitter

Submitters* ex) Robertson,G.R.; Mishima,H.; Kim,K.-H.
Must be separated with semicolons.

Contact Person* ex) Hanako Mishima **E-mail*** ex) mishima@ddbj.nig.ac **Phone*** ex) 81-55-981-6853 **Fax*** ex) 81-55-981-6853
Must be one of the submitters.

Institute* **Department** **URL**

W11-3: Input Metadata

①W8-5でstrainのところをJCM 10692として埋めたので、②と同じになるがとりあえずこうする

Hide Form Preview Enter Job ID to import another job's metadata. : Override organism specific data.

Genus* Lactobacillus **Species*** acidipiscis

Strain* JCM 10692 **Type Strain** YES **Culture Collection** JCM:10692

Locus Tag Prefix ex) LOCUS **BioProject*** ex) PRJDB90001 **BioSample*** ex) SAMD90000000 **Sequence Read Archive** ex) DRR999900

Submitter

Submitters* ex) Robertson,G.R.; Mishima,H.; Kim,K.-H.
Must be separated with semicolons.

Contact Person* ex) Hanako Mishima **E-mail*** ex) mishima@ddbj.nig.ac **Phone*** ex) 81-55-981-6853 **Fax*** ex) 81-55-981-6853
Must be one of the submitters.

Institute* **Department** **URL**

W11-4: 取得情報を

①こんな感じでLacidipiscis (W6-1)、PRJDB5682 (W6-7)、SAM D00078754 (W9-1)の取得情報を入力

Hide Form Preview Enter Job ID to import another job's metadata. : Override organism specific data.

Genus* Lactobacillus **Species*** acidipiscis

Strain* JCM 10692 **Type Strain** YES **Culture Collection** JCM:10692

Locus Tag Prefix Lacidipiscis **BioProject*** PRJDB5682 **BioSample*** SAMD00078754 **Sequence Read Archive** (ex) DRR999900

Submitter
Submitters*
ex) Robertson,G.R.; Mishima,H.; Kim,K.-H.
Must be separated with semicolons.

Contact Person* ex) Hanako Mishima **E-mail*** ex) mishima@ddbj.nig.ac **Phone*** ex) 81-55-981-6853 **Fax*** ex) 81-55-981-6853
Must be one of the submitters.

Institute* **Department** **URL**

W11-5: Submitter

①こんな感じで入力。②のところはスペースを入れてはいけません! (第9回W10-7)

Submitter

Submitters* **②** **②**

Kadota,K.; Tanizawa,Y.; Tohno,M.

Must be separated by colons. **②**

Contact Person* E-mail* Phone* Fax*

Masanori Tohno

Must be one of the submitters.

Institute* Department URL

National Agriculture and Food Research Organization Institute of Livestock and Grassland Science <http://www.naro.affrc.go.jp/>

Country* State City* Street* Zip*

Japan Tochigi Nasushiobara Senbonmatsu 768 329-2793



Reference

Title* Year*

ex) Draft genome sequence of Lactobacillus plantarum strain XXXX. 2017

Authors* Status

ex) Mishima,H.; Yamada,T.; Robertson,G.R.; Kim,K.-H.; Park,C.S.; Shizuoka,T. Unpublish

Journal* Volume* Start Page* End Page*

ex) "Natural"

W11-6: Assembly

Reference

Title
ex) Draft genome sequence of Lactobacillus plantarum strain XXXX.

Year*
2017

Authors*
ex) Mishima,H.; Yamada,T.; Robertson,G.R.; Kim,K.-H.; Park,C.S.; Shizuoka,T.

Status
Unpublish

Journal
ex) "Nature", "J. Bacteriol." Use PubMed type abbreviation.

Volume

Start Page

End Page

Assembly

Assembly Method*
ex) Velevt v. 2.0, SPAdes v. 3.6.1, P

Sequencing Technology*
ex) Illumina MiSeq, Ion PGM, PacBio

Genome Coverage*
ex) 120x

Hold Date
ex) 20160801

Comment

Save

3. Download Submission Files

You can download the sequence file and the annotation file. 作成したファイルをダウンロードできます。Parser および

W11-6: Assembly

①こんな感じで入力しました。②Save。後程(W12-2)でPlatanus B 1.1.0の記述について質問され修正することになるが、このときはまだ自信満々で書き込んでいる

Reference

Title
ex) Draft genome sequence of Lactobacillus plantarum strain XXXX.

Year*
2017

Authors*
ex) Mishima,H.; Yamada,T.; Robertson,G.R.; Kim,K.-H.; Park,C.S.; Shizuoka,T.

Status
Unpublish

Journal
ex) "Nature", "J. Bacteriol." Use PubMed type abbreviation.

Volume

Start Page

End Page

Assembly

Assembly Method*
Platanus B 1.1.0

Sequencing Technology*
Illumina MiSeq

Genome Coverage*
380x

Hold Date
ex) 20160801

Comment

Save

3. Download Submission Files

You can download the sequence file and the annotation file. 作成したファイルをダウンロードできます。Parser および



W11-7: Preview

Input metadata by filling the form to create the submission file. Please refer to the [instruction](#) for more information for each item.


If you want to add items not shown in the form, you can add them manually after downloading the annotation file.

You can "Preview" the provided metadata. You can also import metadata from another DFAST job by providing the job ID in the text box below. By default, organism specific data, such as a species name or a strain name, are not imported. To enable this, check the "Override organism specific data".

登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力します。入力項目の詳細な説明や作成例については [アノテーションファイル作成概説](#) を参照してください。フォームにない項目はファイルダウンロード後に手動で修正を行ってください。メタデータを入力せずに空欄のままファイルを作成し、ダウンロード後に手動で入力することも可能です。

メタデータ入力後 "Preview" ボタンで確認ができます。また、ジョブ ID を入力して他のジョブからメタデータをコピーすることができます。デフォルトでは生物種名や菌株名などのデータはコピーされませんが、"Override organism specific data" を有効にした場合、これらのデータも上書きされます。

▲ Hide Form

Preview 

Override organism specific data.

Genus* Lactobacillus

Species* acidipiscis

Strain* JCM 10692

Type Strain YES

Culture Collection JCM:10692

Locus Tag Prefix Lacidipiscis

BioProject* PRJDB5682

BioSample* SAMD00078754

Sequence Read Archive ex) DRR999900

Submitter

W11-7: Preview

Input metadata by filling the form to create the submission file. 登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力しま

Please refer to the help page for details. Please refer to the help page for details. Please refer to the help page for details. Please refer to the help page for details.

If you want to edit the metadata, you can click the edit button. If you want to edit the metadata, you can click the edit button. If you want to edit the metadata, you can click the edit button. If you want to edit the metadata, you can click the edit button.

You can "Preview" the metadata from the text box. You can "Preview" the metadata from the text box. You can "Preview" the metadata from the text box. You can "Preview" the metadata from the text box.

Hide Fields


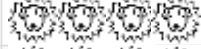

Genus*
Lactobacillus

Strain*
JCM 1069

Locus Tag
Lacidipisc

Submitter

Preview for Common Entry

Entry	Feature	Location	Qualifier	Value
COMMON	DATATYPE		type	WGS
	KEYWORD		keyword	WGS
			keyword	STANDARD_DRAFT
	DBLINK		project	PRJDB5682
			biosample	SAMD00078754
	SUBMITTER		ab_name	Kadota, K.
			ab_name	Tanizawa, Y.
			ab_name	Tohno, M.
			contact	Masanori
			email	
			url	http://www.naro.affrc.go.jp/
			phone	
			fax	
			institute	National Agriculture and Food Research Organization
			department	Institute of Livestock and Grassland Science
			country	Japan

Archive

W11-7: Preview

Input metadata
Please refer to the item.
If you want to edit them manually, you can "Preview" metadata from the text box of a species name. This, check the "Preview" button.

You can "Preview" metadata from the text box of a species name. This, check the "Preview" button.

▲ Hide Fields

Genus*
Lactobacillus

Strain*
JCM 10692

Locus Tag
Lacidipiscis

Submitter

		status	unpublished
		year	2017
	COMMENT	line	Annotated using prokka 1.11 from http://www.vicbioinformatics.com .
		line	Annotated at D-FAST https://dfast.nig.ac.jp
	ST_COMMENT	tagset_id	Genome-Assembly-Data
		Assembly Method	Platanus B 1.1.0
		Genome Coverage	380x
		Sequencing Technology	Illumina MiSeq
source	1..E	organism	Lactobacillus acidipiscis
		strain	JCM 10692
		mol_type	genomic DNA
		note	type strain of Lactobacillus acidipiscis
		ff_definition	@@[organism]@@ DNA, strain: @@[strain]@@, contig: @@[entry]@@
		note	contig: @@[entry]@@
		culture_collection	JCM:10692

Close

W11-8: Format Check


Input metadata by filling the form to create the submission file. Please refer to the [instruction](#) for more information for each item.

If you want to add items not shown in the form, you can add them manually after downloading the annotation file.

You can "Preview" the provided metadata. You can also import metadata from another DFAST job by providing the job ID in the text box below. By default, organism specific data, such as a species name or a strain name, are not imported. To enable this, check the "Override organism specific data".

登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力します。入力項目の詳細な説明や作成例については [アノテーションファイル作成概説](#) を参照してください。フォームにない項目はファイルダウンロード後に手動で修正を行ってください。メタデータを入力せずに空欄のままファイルを作成し、ダウンロード後に手動で入力することも可能です。

メタデータ入力後 "Preview" ボタンで確認ができます。また、ジョブ ID を入力して他のジョブからメタデータをコピーすることができます。デフォルトでは生物種名や菌株名などのデータはコピーされませんが、"Override organism specific data" を有効にした場合、これらのデータも上書きされます。

▲ Hide Form **①** Preview Enter Job ID to import another job's metadata. 

Override organism specific data.

Genus*	Species*		
<input type="text" value="Lactobacillus"/>	<input type="text" value="acidipiscis"/>		
Strain*	Type Strain	Culture Collection	
<input type="text" value="JCM 10692"/>	YES <input type="button" value="v"/>	<input type="text" value="JCM:10692"/>	
Locus Tag Prefix	BioProject*	BioSample*	Sequence Read Archive
<input type="text" value="Lacidipiscis"/>	<input type="text" value="PRJDB5682"/>	<input type="text" value="SAM000078754"/>	<input type="text" value="ex) DRR999900"/>
Submitter			

W11-8: Format Check


Input metadata by filling the form to create the submission file. Please refer to the [instruction](#) for more information for each item.

If you want to add items not shown in the form, you can add them manually after downloading the annotation file.

You can "Preview" the provided metadata. You can also import metadata from another DFAST job by providing the job ID in the text box below. By default, organism specific data, such as a species name or a strain name, are not imported. To enable this, check the "Override organism specific data".

登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力します。入力項目の詳細な説明や作成例については [アノテーションファイル作成概説](#) を参照してください。フォームにない項目はファイルダウンロード後に手動で修正を行ってください。メタデータを入力せずに空欄のままファイルを作成し、ダウンロード後に手動で入力することも可能です。

メタデータ入力後 "Preview" ボタンで確認ができます。また、ジョブ ID を入力して他のジョブからメタデータをコピーすることができます。デフォルトでは生物種名や菌株名などのデータはコピーされませんが、"Override organism specific data" を有効にした場合、これらのデータも上書きされます。

▼ Show Form Preview Enter Job ID to import another job's metadata. 

: Override organism specific data.

3. Download Submission Files

You can download the sequence file and the annotation file. You can also check the file format and translated amino acid sequence using [Parser](#) and [transChecker](#) (© DDBJ).

If you have edited the annotation and metadata, files are automatically updated.

作成したファイルをダウンロードできます。Parser および transChecker (© DDBJ) を使用してファイル書式およびアミノ酸翻訳配列のチェックを行うことができます。アノテーションやメタデータを編集した場合、変更内容は自動的に反映されます。

Format Check	Sequence (Genomic Fasta File)	Annotation (TAB-separated Table)	TAB-separated Table without annotation # Use this to submit a genome without annotation.
--------------	-------------------------------	----------------------------------	---

4. Submit Your Genome

W11-8: Format Check

Input metadata by filling the form to create the submission file. Please refer to the [instruction](#) for more information for each item.

If you want to add items not shown in the form, you can add them manually after downloading the annotation file.

You can "Preview" the provided metadata. You can also import metadata from another DFAST job by providing the job ID in the text box below. By default, organism specific data, such as a species name or a strain name, are not imported. To enable this, check the "Override organism specific data".

登録ファイル作成に必要なメタデータをフォームに入力します。入力項目の詳細な説明や作成例については [アノテーションファイル作成概説](#) を参照してください。フォームにない項目はファイルダウンロード後に手動で修正を行ってください。メタデータを入力せずに空欄のままファイルを作成し、ダウンロード後に手動で入力することも可能です。

メタデータ入力後 "Preview" ボタンで確認ができます。また、ジョブ ID を入力して他のジョブからメタデータをコピーすることができます。デフォルトでは生物種名や菌株名などのデータはコピーされませんが、"Override organism specific data" を有効にした場合、これらのデータも上書きされます。

▼ Show Form Preview Enter Job ID to import another job's metadata. 📄

: Override organism specific data.

3. Download Submission Files

You can download the sequence file and the annotation file. You can also check the file format and translated amino acid sequence using [Parser](#) and [transChecker](#) (© DDBJ).

If you have edited the annotation and metadata, files are automatically updated.

作成したファイルをダウンロードできます。 [Parser](#) および [transChecker](#) (© DDBJ) を使用してファイル書式およびアミノ酸翻訳配列のチェックを行うことができます。アノテーションやメタデータを編集した場合、変更内容は自動的に反映されます。

Format Check	Sequence (Genomic Fasta File)	Annotation (TAB-separated Table)	TAB-separated Table without annotation # Use this to submit a genome without annotation.
--------------	-------------------------------	----------------------------------	---

4. Submit Your Genome

W11-9: Format Check結果

Format Check for DDBJ Submission Files

Check For Annotation File

jParser (Ver. 6.55) started.
reading sequence.....
reading sequence.....
reading sequence.....
reading sequence.....
reading sequence.....
reading sequence.....
reading annotation.....
reading annotation.....

JP0078:ER1:STX:ANN:Line [21]: Invalid length [] for [title] qualifier, it must be modified following [1-255].

JP0078:ER1:STX:ANN:Line [22]: Invalid length [] for [ab_name] qualifier, it must be modified following [1-64].

JP0078:ER1:STX:ANN:Line [23]: Invalid length [] for [ab_name] qualifier, it must be modified following [1-64].

JP0078:ER1:STX:ANN:Line [24]: Invalid length [] for [ab_name] qualifier, it must be modified following [1-64].

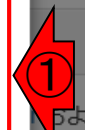
JP0115:WAR:STX:ANN:Lines [22] and [23]: [ab_name] [] is duplicated in [SUBMITTER/REFERENCE].

JP0115:WAR:STX:ANN:Lines [22] and [24]: [ab_name] [] is duplicated in [SUBMITTER/REFERENCE].

jParser (Ver. 6.55) finished.

Check For Translation

transChecker (Ver. 2.20) started at Fri Apr 21 16:29:09 JST 2017



①

W11-9: Format Check結果

Input metadata
Please refer to the manual for details.
If you want to correct the errors, you can manually edit the text box. If you have a species name, please check it.
▼ Show Full Report

3. Download the FASTA file
You can download the FASTA file. You can also download the sequence usage file. If you have a species name, please automatically download the FASTA file.

4. Submit Your Genome.

JP0078:ER1:STX:ANN:Line [21]: Invalid length [] for [title] qualifier, it must be modified following [1-255].
JP0078:ER1:STX:ANN:Line [22]: Invalid length [] for [ab_name] qualifier, it must be modified following [1-64].
JP0078:ER1:STX:ANN:Line [23]: Invalid length [] for [ab_name] qualifier, it must be modified following [1-64].
JP0078:ER1:STX:ANN:Line [24]: Invalid length [] for [ab_name] qualifier, it must be modified following [1-64].
JP0115:WAR:STX:ANN:Lines [22] and [23]: [ab_name] [] is duplicated in [SUBMITTER/REFERENCE].
JP0115:WAR:STX:ANN:Lines [22] and [24]: [ab_name] [] is duplicated in [SUBMITTER/REFERENCE].
jParser (Ver. 6.55) finished.

Check For Translation

transChecker (Ver. 2.20) started at Fri Apr 21 16:29:09 JST 2017
Reading Sequence File(s).....finished.
Reading Annotation File(s) and Checking translation error....
..finished.
TransChecker (Ver. 2.20) finished at Fri Apr 21 16:29:11 JST 2017
>sequence008.20 complement(22902..23111)
TC0029:WAR: [1] codons are not translatable.
//
>sequence048.3 1481..2578
TC0029:WAR: [1] codons are not translatable.
//

Close

W11-10: エラー原因と対策

①Referenceのところの、
②を埋めるといいのかも

The screenshot shows a web browser window with the URL <http://dfast.nig.ac.jp/analysis/annotation/005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f/sut>. The page title is "DFAST: DDBJ Fast Ann...". The form is titled "Reference" and contains several input fields. A red box highlights the "Title" and "Authors*" fields, with a red arrow labeled "1" pointing to the "Title" field. Another red arrow labeled "2" points to the "Year*" field. The "Status" dropdown menu is set to "Unpublish". Below the "Reference" section are fields for "Journal", "Volume", "Start Page", and "End Page". The "Journal" field contains the text "ex) 'Nature', 'J. Bacteriol.' Use PubMed type abbreviation." The "Assembly" section includes "Assembly Method*" (Platanus B 1.1.0), "Sequencing Technology*" (Illumina MiSeq), and "Genome Coverage*" (380x). The "Hold Date" field contains "ex) 20160801" and there is an empty "Comment" field. A blue "Save" button is located at the bottom left of the form. At the bottom of the page, there is a link "3. Download Submission Files".

Reference

Title
ex) Draft genome sequence of Lactobacillus plantarum strain XXXX.

Year*
2017

Authors*
ex) Mishima,H.; Yamada,T.; Robertson,G.R.; Kim,K.-H.; Park,C.S.; Shizuoka,T.

Status
Unpublish

Journal
ex) "Nature", "J. Bacteriol." Use PubMed type abbreviation.

Volume

Start Page

End Page

Assembly

Assembly Method*
Platanus B 1.1.0

Sequencing Technology*
Illumina MiSeq

Genome Coverage*
380x

Hold Date
ex) 20160801

Comment

Save

3. Download Submission Files

W11-10: エラー原因と対策

①こんな感じで埋めて、② Saveし、再度Format Check

The screenshot shows a web browser window displaying the DFAST submission form. The browser address bar shows the URL: <http://dfast.nig.ac.jp/analysis/annotation/005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f/sut>. The form is divided into several sections:

- Reference**
 - Title**: Draft genome sequence of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692
 - Authors***: Kadota,K.; Tanizawa,Y.; Tohno,M.
 - Year***: 2017
 - Status**: Unpublish (dropdown menu)
- Journal**: ex) "Nature", "J. Bacteriol." Use PubMed type abbreviation.
- Volume**: (empty)
- Start Page**: (empty)
- End Page**: (empty)

Assembly

- Assembly Method***: Platanus B 1.1.0
- Sequencing Technology***: Illumina MiSeq
- Genome Coverage***: 380x

Hold Date: ex) 20160801

Comment: (empty text area)

Save: (button with a red arrow and the number 2 pointing to it)

At the bottom of the form, there is a link: [3. Download Submission Files](#)

W11-11: Format Check

Format Check結果。①2か所で不明アミノ酸残基 (X) が含まれている旨の警告が出たようだ。DFASTではXが連続して2つ以上並んだ場合には登録には不適切として結果から削除しているため、Xが含まれていたとしても最大で1アミノ酸残基である。Xの数が多い場合、DDBJのアノテーターから修正を要求されることがあるが、この程度であれば通常は許容範囲である

Format Check for DDBJ Submission Files

Check For Annotation File

```
jParser (Ver. 6.55) started.  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading annotation.....  
reading annotation.....  
jParser (Ver. 6.55) finished.
```

Check For Translation

```
transChecker (Ver. 2.20) started at Fri Apr 21 16:51:23 JST 2017  
Reading Sequence File(s).....finished.  
Reading Annotation File(s) and Checking translation error....  
..finished.  
TransChecker (Ver. 2.20) finished at Fri Apr 21 16:51:24 JST 2017
```

```
>sequence008.20 complement(22902..23111)  
TC0029:WAR: [1] codons are not translatable.  
//  
>sequence048.3 1481..2578  
TC0029:WAR: [1] codons are not translatable.  
//
```



W11-11 : Format Check

Check For Annotation File

```
jParser (Ver. 6.55) started.  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading sequence.....  
reading annotation.....  
reading annotation.....  
jParser (Ver. 6.55) finished.
```

Check For Translation

```
transChecker (Ver. 2.20) started at Fri Apr 21 16:51:23 JST 2017  
Reading Sequence File(s).....finished.  
Reading Annotation File(s) and Checking translation error....  
..finished.  
TransChecker (Ver. 2.20) finished at Fri Apr 21 16:51:24 JST 2017  
>sequence008.20 complement(22902..23111)  
TC0029:WAR: [1] codons are not translatable.  
//  
>sequence048.3 1481..2578  
TC0029:WAR: [1] codons are not translatable.  
//
```

Close

W11-12: 最終段階

①ファイルを添付する代わりに、②このページのURLをメールに記載して送るだけでよいので楽ちんです。添付ファイルとしてDDBJにメール送付するのが一般的です

data" を有効にした場合、これらのマークも上書きされます。

▼ Show Form Preview Enter Job ID to import another job's metadata. 📄

: Override organism specific data.

3. Download Submission Files

You can download the sequence file and the annotation file. You can also check the file format and translated amino acid sequence using [Parser](#) and [transChecker](#) (© DDBJ). If you have edited the annotation and metadata, files are automatically updated.

作成したファイルをダウンロードできます。Parser および transChecker (© DDBJ) を使用してファイル書式およびアミノ酸翻訳配列のチェックを行うことができます。アノテーションやメタデータを編集した場合、変更内容は自動的に反映されます。

Format Check **Sequence (Genomic Fasta File)** **Annotation (TAB-separated Table)** TAB-separated Table without annotation
Use this to submit a genome without annotation.

4. Submit Your Genome.

Send submission files to DDBJ MSS in email attachments (mass at ddbj.nig.ac.jp). Alternatively, you can send the URL of this page by an email.

If you have any questions about submission or MSS usage, please make an inquiry at [DDBJ Contact Form](#) or send an email to DDBJ. Please contact us by email for inquiry regarding DFAST web service (dfast at ddbj.nig.ac.jp).

作成したファイルに問題がなければ、ファイルをメールに添付し DDBJ MSS (mass at ddbj.nig.ac.jp) 宛てに送付します。また、ファイルを添付する代わりにこのページの URL をメールに記載して送ることも可能です。

登録手順や MSS の利用に関する質問は DDBJ の [問い合わせフォーム](#) もしくは DDBJ 宛てにメールでお問い合わせください。本サービスについての質問は dfast at ddbj.nig.ac.jp 宛てにメールでお問い合わせください。

W11-13: DDBJにメール

3. Download Submission Files

You can download the sequence file
You can also check the file format at
sequence using [Parser](#) and [transCh](#)
If you have edited the annotation an
automatically updated.

Format Check Sequence (G
File)

4. Submit Your Genome.

Send submission files to DDBJ MSS in email attachments
(mass at ddbj.nig.ac.jp). Alternatively, you can send the URL
of this page by an email.

If you have any questions about submission or MSS usage,
please make an inquiry at [DDBJ Contact Form](#) or send an
email to DDBJ. Please contact us by email for inquiry
regarding DFAST web service (dfast at ddbj.nig.ac.jp).

作成したファイルに問題がなければ、ファイルをメールに添
付し DDBJ MSS (mass at ddbj.nig.ac.jp) 宛てに送付します。
また、ファイルを添付する替わりにこのページの URL をメー
ルに記載して送ることも可能です。

登録手順や MSS の利用に関する質問は DDBJ の [問い合わせ
フォーム](#) もしくは DDBJ 宛てにメールでお問い合わせくださ
い。本サービスについての質問は dfast at ddbj.nig.ac.jp 宛て
にメールでお問い合わせください。

月曜日の昼にDDBJ登録係よりメールがきた。これから確認作業のようだ

W12-1: やりとりの詳細

Koji Kadota 様

いつもお世話になっております。DDBJ 登録係です。
登録ファイルを受け取りました。

327 contigs

恐れ入りますが、確認作業の後、再度連絡いたします。

どうぞよろしく願いいたします。

DDBJ 登録係

On 2017/04/21 19:14, Koji Kadota wrote:

- > 担当者さま
- > 下記に示す URL の通りでよろしく願いいたします。
- > <http://dfast.nig.ac.jp/analysis/annotation/005d6595-d325-4157-8404-0385e24bc13f/submission>

W12-2: DDBJからの質問

以下についてご確認の上、ご回答ください。

1. ST_COMMENT において、アセンブリに使用されたソフト version は、
"B 1.1.0" でよろしいでしょうか？

Assembly Method Platanus B 1.1.0

2. rRNA において、5S rRNA のみ予測されております。
16S rRNA、23S rRNA は予測できませんでしたか？

product 5S ribosomal RNA

3. 今回のデータは、登録完了後、即日公開でよろしいでしょうか？

W12-3: DDBJへの回答

担当者さま

お世話になっております。

1.

アセンブリに使用されたソフトは、Platanus_B です。

version は、1.1.0 です。大変失礼しました。

2.

予測ソフト Barrnap を用いたところ、検出されたのものは 5S のみでした。

補足事項として、

rRNA 領域はゲノム中に複数コピーありますので、うまくアセンブルできないことがあります。5S は短いので予測されてきますが、16S や 23S は全長が長いので、途中でコンテイングが分断されてしまって検出されなかったものと思われます。

3.

「登録完了後、即日公開」をお願いします。

また、これに先立って登録させていただいた

「BioProject のアクセッション番号 PRJDB5682」および

「BioSample のアクセッション番号 SAMD00078754」

につきましても今回のものと同じタイミングで即時公開としていただければ幸いです。

W12-4: DDBJからのメール



ご回答いただきありがとうございます。

1. 以下の様に記載いたします。

Assembly Method Platanus_B v. 1.1.0

2. rRNA 領域の予測について承知いたしました。

3. 登録データと BioProject/BioSample が連携されていますので、
連動公開されます。

それでは登録作業を進行いたします。
登録完了後には、即日公開を行います。



アクセッション番号は別の定型メールにて、
お知らせいたしますので、今、しばらくお待ちください。

W12-5: 別の定型メール1

約30分後に定型メールがきた。①
がアクセッション番号リストの添付
ファイルなのだろう。②日付はこれ

D DDBJ <ddbjupdt@ddbj.nig.ac.jp> [DDBJ:tohno-0007] Assigned Accession No.



1

(火) 15:57

このメッセージから余分な改行を削除しました。



SAMD00078754_JC...
8 KB



25 APR 2017



National Agriculture and Food Research Organization, National Institute of Livestock and Grassland Science Dear Dr. Masanori Tohno,

DDBJをご利用いただきまして ありがとうございます。

ご登録いただきましたデータのアクセッション番号は以下の通りです。
お送りいただきましたデータの登録、公開作業を行います。

当配列データについて問い合わせがあった場合は、ご協力を お願いいたします。
また、連絡が可能な状態を保つため、contact person 情報の変更が必要な場合は、
下記の依頼フォーム、または、電子メールにて ご連絡ください。

W12-5: 別の定型メール2

定型メールの下のほう。①2
日以内に見られるとのこと。
②getentryで確認可能らしい

原則として2日以内(土、日、祭日を除く)にデータベース上で検索可能になります。①
DDBJのデータベース検索ツール getentry をご利用になり、内容をご確認ください。

getentry; <http://getentry.ddbj.nig.ac.jp/top-j.html>

今後ともDDBJへのご理解・ご協力をお願いいたします。②

〒411-8540

静岡県三島市谷田1111

大学共同機関法人 情報・システム研究機構

国立遺伝学研究所

DDBJセンター

日本DNAデータバンク

FAX: 0543-854000

更新/問い合わせ: ddbjupdt@ddbj.nig.ac.jp

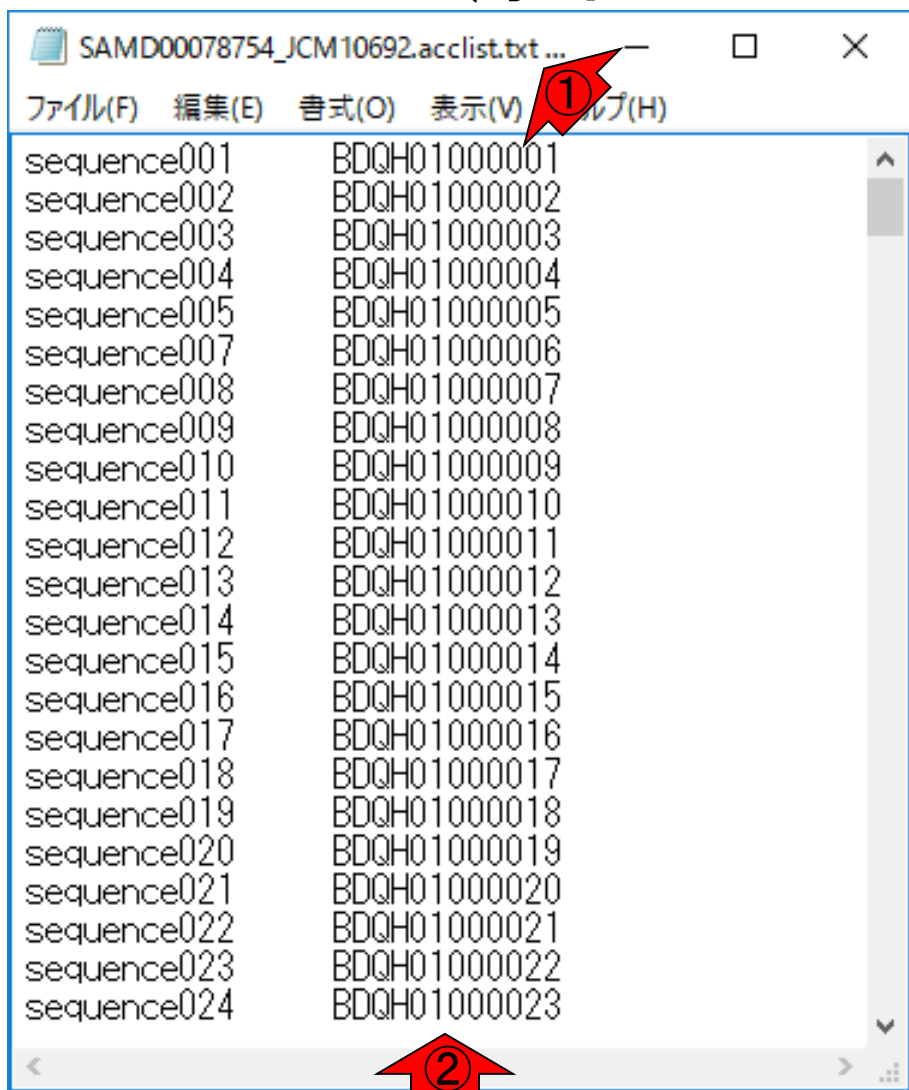
更新依頼フォーム: <http://www.ddbj.nig.ac.jp/updt-form-e.html>

更新方法等: <http://www.ddbj.nig.ac.jp/updt-j.html>

Accession number: BDQH01000001-BDQH01000327 (327 entries) Accession number
list: SAMD00078754_JCM10692.acclist.txt

W12-6: 添付ファイルの中身

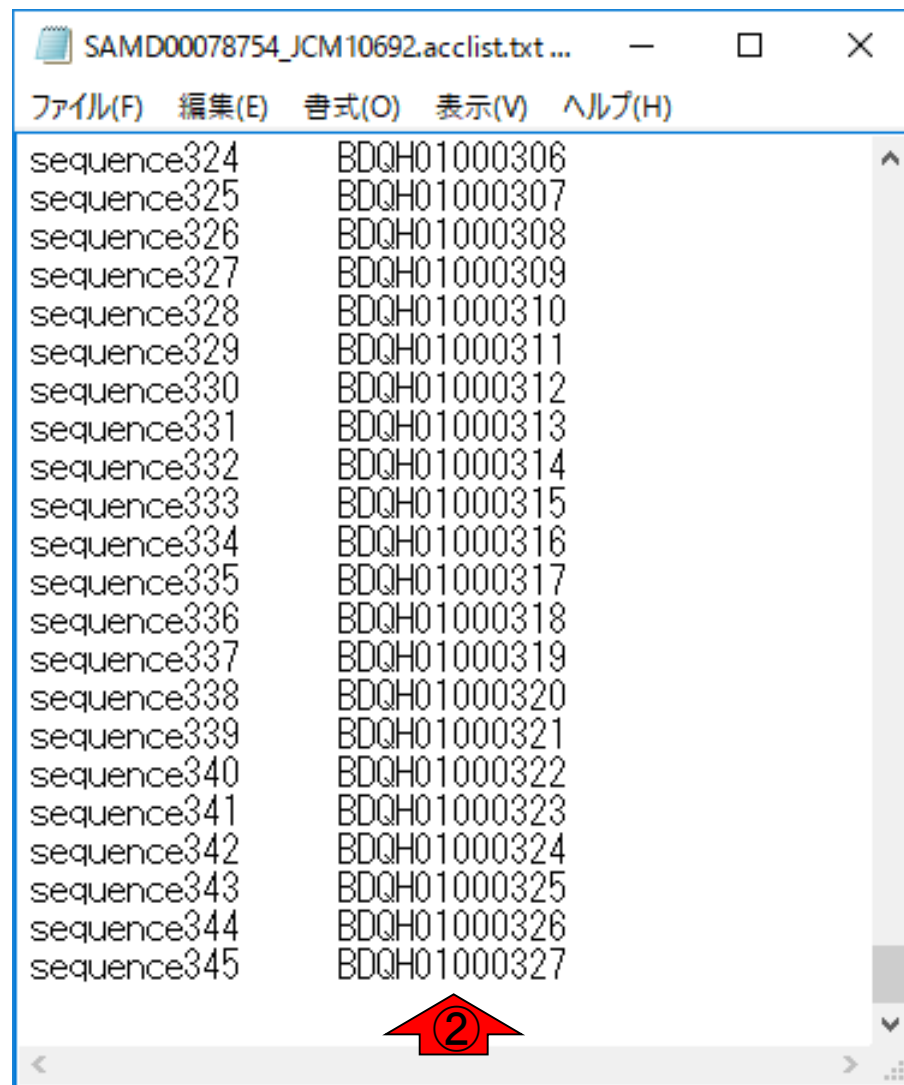
W12-5の①添付ファイルの中身。確かに②アクセス番号リストの情報がありません



SAMD00078754_JCM10692.acclist.txt ...

ファイル(F) 編集(E) 書式(O) 表示(V) ヘルプ(H)

```
sequence001 BDQH01000001
sequence002 BDQH01000002
sequence003 BDQH01000003
sequence004 BDQH01000004
sequence005 BDQH01000005
sequence007 BDQH01000006
sequence008 BDQH01000007
sequence009 BDQH01000008
sequence010 BDQH01000009
sequence011 BDQH01000010
sequence012 BDQH01000011
sequence013 BDQH01000012
sequence014 BDQH01000013
sequence015 BDQH01000014
sequence016 BDQH01000015
sequence017 BDQH01000016
sequence018 BDQH01000017
sequence019 BDQH01000018
sequence020 BDQH01000019
sequence021 BDQH01000020
sequence022 BDQH01000021
sequence023 BDQH01000022
sequence024 BDQH01000023
```



SAMD00078754_JCM10692.acclist.txt ...

ファイル(F) 編集(E) 書式(O) 表示(V) ヘルプ(H)

```
sequence324 BDQH01000306
sequence325 BDQH01000307
sequence326 BDQH01000308
sequence327 BDQH01000309
sequence328 BDQH01000310
sequence329 BDQH01000311
sequence330 BDQH01000312
sequence331 BDQH01000313
sequence332 BDQH01000314
sequence333 BDQH01000315
sequence334 BDQH01000316
sequence335 BDQH01000317
sequence336 BDQH01000318
sequence337 BDQH01000319
sequence338 BDQH01000320
sequence339 BDQH01000321
sequence340 BDQH01000322
sequence341 BDQH01000323
sequence342 BDQH01000324
sequence343 BDQH01000325
sequence344 BDQH01000326
sequence345 BDQH01000327
```

W13-1 : BioSampleリリース

Dear Koji Kadota, Yasuhiro Tanizawa and Masanori Tohno,

Thank you for your submission to the DDBJ BioSample.

** Following sample(s) has been released to the public according to the release policy. **

[Released date]

2017-04-26

[Accession number]

(Submission ID: SSUB007729)

SAMD00078754 (Lactobacillus acidipiscis 10692T) 

The released sample(s) is available on the DDBJ BioSample listing page.

<http://trace.ddbj.nig.ac.jp/BSSearch/biosample?acc=SAMD00078754> 

W13-2: SAMD00078754

http://trace.ddbj.nig.ac.jp/BSSearch/biosample?acc=SAMD00078754 SAMD00078754 - BioS...

DDBJ BioSample Search Search Home BioSample Home

BioSample Detail : SAMD00078754

Description

Title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)
Taxonomy ID	89059
Organism Name	Lactobacillus acidipiscis
Description	Type strain of Lactobacillus acidipiscis originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in Thailand

General Info

Organization	Institute of Livestock and Grassland Science, National Agriculture and Food Research Organization
--------------	---

Model

Sample type	MIGS.ba.miscellaneous
-------------	-----------------------

Attributes

sample_name	Lactobacillus acidipiscis 10692T
biomaterial_provider	JCM
bioproject_id	PRJDB5682
collection_date	1999
env_biome	not applicable
env_feature	not applicable
env_material	not applicable
geo_loc_name	Thailand
isol_growth_condt	http://ijms.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
isolation_source	fermented fish (Pla-ra)
lat_lon	missing
locus_tag_prefix	Lacidipiscis
num_replicons	missing
project_name	Genome analysis project of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T
ref_biomaterial	http://ijms.microbiologyresearch.org/content/journal/ijsem/10.1099/00207713-50-4-1479
source_material_id	JCM 10692
strain	JCM 10692
type_strain	Yes

Links

JCM Catalogue for Lactobacillus acidipiscis	http://www.jcm.riken.jp/cgi-bin/jcm/jcm_number?JCM=10692
---	---

Close

Web site policy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: Aug. 17, 2014 (V3.0)

W13-3: BioProjectリリース

Dear Koji Kadota, Yasuhiro Tanizawa and Masanori Tohno,

Thank you for your submission to the DDBJ BioProject.

** Following project(s) has been released to the public according to the release policy. **

[Released date]

2017-04-26

[Accession number (Submission ID)]

PRJDB5682 (Submission ID: PSUB007096)



The released project(s) is available on the DDBJ BioProject listing page.

<http://trace.ddbj.nig.ac.jp/BPSearch/bioproject?acc=PRJDB5682>



The released project(s) will also be available at the NCBI BioProject in a few days.

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/bioproject/>

W13-4: PRJDB5682

Browser address bar: <http://trace.ddbj.nig.ac.jp/BPSearch/bioproject?acc=PRJDB5682>

DDBJ BioProject Search Search Home BioProject Home

Project Detail : PRJDB5682

Accession	PRJDB5682
Project Type	Primary submission
Project Data Type	Genome Sequencing

General info

Project title	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692 Genome Sequencing Project
Project Description	Lactobacillus acidipiscis is a homofermentative lactic acid bacteria originally isolated from fermented fish (Pla-ra) in 2000. This project was conducted as a part of hands-on training of NGS data analysis published on the Japanese Journal of Lactic Acid Bacteria.
Release Date	2017-04-26
Relevance	Agricultural

Project Type

Sample scope/Material/Capture/Methodology	
Sample Scope	Monoisolate
Material	Genome
Capture	Whole
Methodology	Sequencing
Objective	
Objective	Sequence, Assembly, Annotation
Locus tag prefix	Lacidipiscis

Target

Organism information	
Organism name	Lactobacillus acidipiscis
Taxonomy ID	89059
Strain, breed, cultivar	JCM 10692
Description	Lactobacillus acidipiscis JCM 10692T obtained from Japanese Collection of Microorganisms (JCM)

Close

Website policy | © DNA Data Bank of Japan Last modified: Aug. 17, 2016 (V3.0)

W13-5: getentry

W12-5のメール本文でも示されている①
DDBJ のデータベース検索ツールgetentry
上で、②最初のコンティグを検索してみる

HOME > 検索・解析 > getentry

getentry ヘルプ

アクセッション番号等によるエントリ検索

ID: 検索

DNA データベース: DDBJ / EMBL / GenBank MGA 出力形式: フラットファイル(DDBJ)

Protein データベース: UniProt PDB DAD Patent 出力形式: default

取得方法: html 上限: 10 件

```
sequence001 BDQH01000001
sequence002 BDQH01000002
sequence003 BDQH01000003
sequence004 BDQH01000004
sequence005 BDQH01000005
sequence007 BDQH01000006
sequence008 BDQH01000007
sequence009 BDQH01000008
sequence010 BDQH01000009
sequence011 BDQH01000010
sequence012 BDQH01000011
sequence013 BDQH01000012
sequence014 BDQH01000013
sequence015 BDQH01000014
sequence016 BDQH01000015
sequence017 BDQH01000016
sequence018 BDQH01000017
sequence019 BDQH01000018
sequence020 BDQH01000019
sequence021 BDQH01000020
sequence022 BDQH01000021
sequence023 BDQH01000022
sequence024 BDQH01000023
```

W13-6: BDQH01000001

http://getentry.ddbj.nig.ac.jp/top-j.html

DDBJ DNA Data Bank of Japan

Google カスタム検索 Search

HOME > 検索・解析 > getentry

getentry ヘルプ

アクセッション番号等によるエントリ検索

ID: 検索

DNA データベース: DDBJ / EMBL / GenBank MGA 出力形式: フラットファイル(DDBJ)

Protein データベース: UniProt PDB DAD Patent 出力形式: default

取得方法: 上限: 件

SAMD00078754_JCM10692.acclist.txt ...

ファイル(F) 編集(E) 書式(O) 表示(M) ヘルプ(H)

sequence001	BDQH01000001
sequence002	BDQH01000002
sequence003	BDQH01000003
sequence004	BDQH01000004
sequence005	BDQH01000005
sequence007	BDQH01000006
sequence008	BDQH01000007
sequence009	BDQH01000008
sequence010	BDQH01000009
sequence011	BDQH01000010
sequence012	BDQH01000011
sequence013	BDQH01000012
sequence014	BDQH01000013
sequence015	BDQH01000014
sequence016	BDQH01000015
sequence017	BDQH01000016
sequence018	BDQH01000017
sequence019	BDQH01000018
sequence020	BDQH01000019
sequence021	BDQH01000020
sequence022	BDQH01000021
sequence023	BDQH01000022
sequence024	BDQH01000023

W13-6: BDQH01000001



<http://getentry.ddbj.ac.jp/getentry>
①
DDBJ seq...
BDQH... x

LOCUS BDQH01000001 3747 bp DNA linear BCT 26-APR-2017
DEFINITION Lactobacillus acidipiscis DNA, strain: JCM 10692, scaffold: sequence001.
ACCESSION [BDQH01000001](#) BDQH01000000
VERSION BDQH01000001.1
DBLINK BioProject:PRJDB5682
 BioSample:SAMD00078754
KEYWORDS WGS; STANDARD_DRAFT.
SOURCE Lactobacillus acidipiscis
ORGANISM [Lactobacillus acidipiscis](#)
 Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Lactobacillales; Lactobacillaceae; Lactobacillus.
REFERENCE 1 (bases 1 to 3747)
AUTHORS Kadota,K., Tanizawa,Y. and Tohno,M.
TITLE Direct Submission
JOURNAL Submitted (25-APR-2017) to the DDBJ/EMBL/GenBank databases.
 Contact:Masanori Tohno
 National Agriculture and Food Research Organization, Institute of Livestock and Grassland Science; Senbonmatsu 768, Nasushiobara, Tochigi 329-2793, Japan
 URL :http://www.naro.affrc.go.jp/
REFERENCE 2
AUTHORS Kadota,K., Tanizawa,Y. and Tohno,M.
TITLE Draft genome sequence of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692
JOURNAL Unpublished (2017)
COMMENT Annotated using prokka 1.11 from http://www.vicbioinformatics.com.
 Annotated at D-FAST https://dfast.nig.ac.jp

 ##Genome-Assembly-Data-START##
 Assembly Method :: Platanus_B v. 1.1.0
 Genome Coverage :: 380x
 Sequencing Technology :: Illumina MiSeq
 ##Genome-Assembly-Data-END##
FEATURES Location/Qualifiers
[source](#) 1..3747
 /[culture collection](#)="JCM:10692"

W13-6: BDQH01000001

①2017年4月26日付けで公開されたようだ。②BioProjectおよびBioSample IDもある。③入力したとおりの名前もある

LOCUS BDQH01000001 3747 bp DNA linear BCT 26-APR-2017

DEFINITION Lactobacillus acidipiscis DNA, strain: JCM 10692, scaffold: sequence001.

ACCESSION [BDQH01000001](#) BDQH01000000

VERSION BDQH01000001.1

DBLINK [BioProject:PRJDB5682](#)
[BioSample:SAMD00078754](#)

KEYWORDS WGS; STANDARD_DRAFT.

SOURCE Lactobacillus acidipiscis

ORGANISM [Lactobacillus acidipiscis](#)
Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Lactobacillales; Lactobacillaceae; Lactobacillus.

REFERENCE 1 (bases 1 to 3747)

AUTHORS Kadota,K., Tanizawa,Y. and Tohno,M.

TITLE Direct Submission

JOURNAL Submitted (25-APR-2017) to the DDBJ/ENBL/GenBank databases.
Contact:Masanori Tohno
National Agriculture and Food Research Organization, Institute of Livestock and Grassland Science; Senbonmatsu 768, Nasushiobara, Tochigi 329-2793, Japan
URL :<http://www.naro.affrc.go.jp/>

REFERENCE 2

AUTHORS Kadota,K., Tanizawa,Y. and Tohno,M.

TITLE Draft genome sequence of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692

JOURNAL Unpublished (2017)

COMMENT Annotated using prokka 1.11 from <http://www.vicbioinformatics.com>.
Annotated at D-FAST <https://dfast.nig.ac.jp>

##Genome-Assembly-Data-START##
Assembly Method :: Platanus_B v. 1.1.0
Genome Coverage :: 380x
Sequencing Technology :: Illumina MiSeq
##Genome-Assembly-Data-END##

FEATURES Location/Qualifiers
[source](#) 1..3747
[/culture collection](#)="JCM:10692"

W13-6: BDQH01000001

①DDBJとのやりとり(W12-4)で修正されたとおり、Platanus_B v. 1.1.0になっている



Browser window showing the DDBJ entry for BDQH01000001. The entry details are as follows:

```
LOCUS      BDQH01000001          3747 bp    DNA     linear   BCT 26-APR-2017
DEFINITION Lactobacillus acidipiscis DNA, strain: JCM 10692, scaffold:
           sequence001.
ACCESSION  BDQH01000001 BDQH01000000
VERSION   BDQH01000001.1
DBLINK    BioProject:PRJDB5682
           BioSample:SAMD00078754
KEYWORDS  WGS; STANDARD_DRAFT.
SOURCE    Lactobacillus acidipiscis
ORGANISM  Lactobacillus acidipiscis
           Bacteria; Firmicutes; Bacilli; Lactobacillales; Lactobacillaceae;
           Lactobacillus.
REFERENCE  1 (bases 1 to 3747)
AUTHORS   Kadota,K., Tanizawa,Y. and Tohno,M.
TITLE     Direct Submission
JOURNAL   Submitted (25-APR-2017) to the DDBJ/EMBL/GenBank databases.
           Contact:Masanori Tohno
           National Agriculture and Food Research Organization, Institute of
           Livestock and Grassland Science; Senbonmatsu 768, Nasushiobara,
           Tochigi 329-2793, Japan
           URL      :http://www.naro.affrc.go.jp/
REFERENCE  2
AUTHORS   Kadota,K., Tanizawa,Y. and Tohno,M.
TITLE     Draft genome sequence of Lactobacillus acidipiscis JCM 10692
JOURNAL   Unpublished (2017)
COMMENT   Annotated using prokka 1.11 from http://www.vicbioinformatics.com.
           Annotated at D-FAST https://dfast.nig.ac.jp

##Genome-Assembly-Data-START##
Assembly Method      :: Platanus_B v. 1.1.0
Genome Coverage      :: 380x
Sequencing Technology :: Illumina MiSeq
##Genome-Assembly-Data-END##
FEATURES             Location/Qualifiers
     source          1..3747
                       /culture collection="JCM:10692"
```

A red box highlights the assembly data section, and a red arrow with the number 1 points to it.